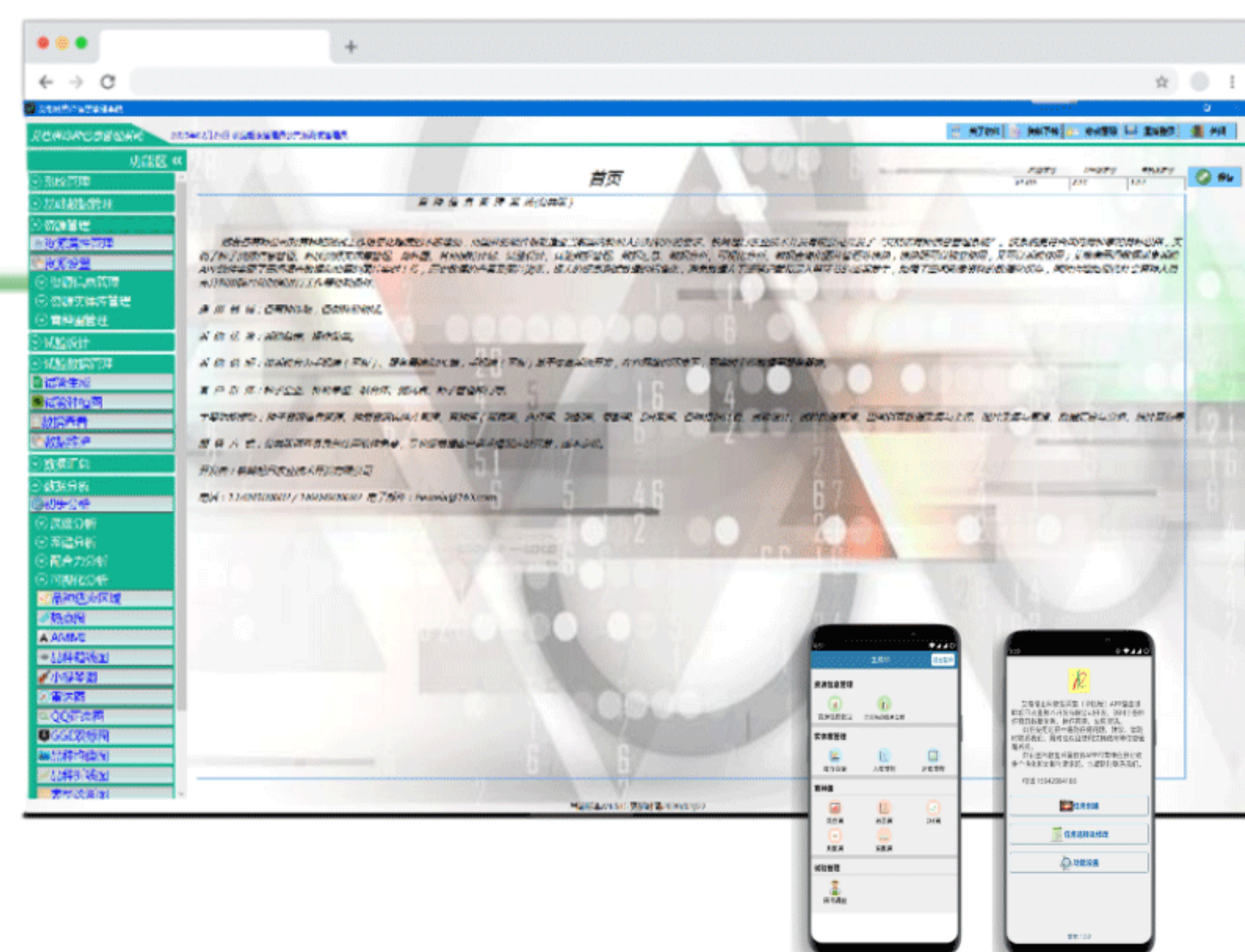




艾格侬

// 育种信息管理系统 //

Agro-Breeding Information Management System



铁岭旭日农业技术开发有限公司
www.tlxrny.com

目录

01--公司简介

02--艾格偌育种信息管理系统

03--资源信息管理

04--资源实体库管理

05--育种圃管理

06--试验设计

07--试验数据管理

08--数据汇总

09--数据分析

16--图片&视频管理

17--艾格偌田间数据采集系统

18--艾格偌育种信息管理系统-APP端

19--艾格偌田间数据采集系统-单机版

20--合作伙伴

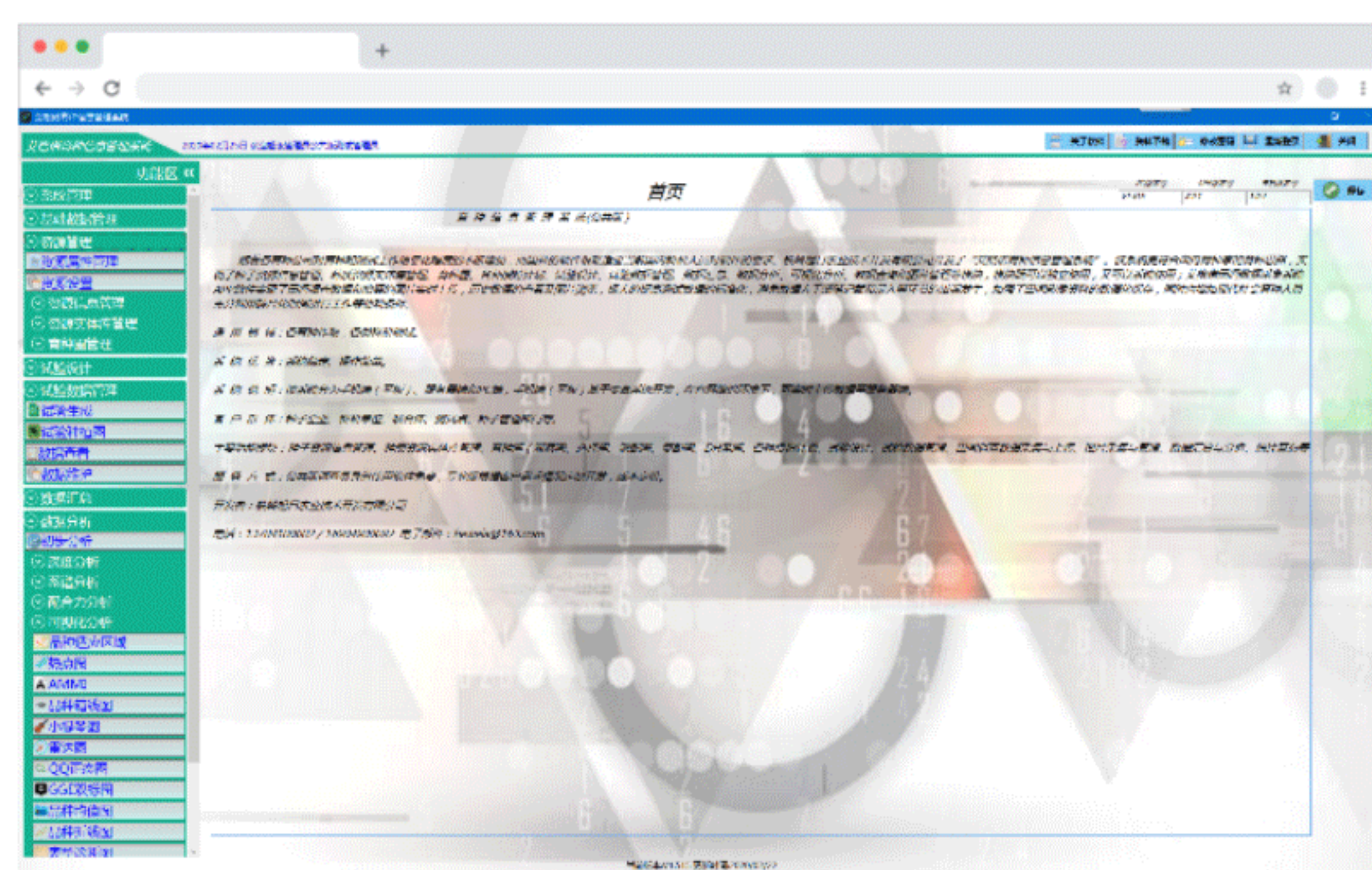
21--产品列表

公司简介

铁岭旭日农业技术开发有限公司（铁岭东升玉米品种试验中心）成立于2011年，现有职工60余人，是一家致力于为种业科研单位提供各种育种机械、育种信息化构建、分子生物及其他科研育种相关服务的公司。

育种软件

艾格偌育种信息管理系统
艾格偌种质资源管理系统
艾格偌田间数据采集系统
艾格偌田间数据采集系统单机版



育种机械

玉米小区播种机
玉米小区收割测产机
玉米小区脱粒机
谷物小区测产系统
玉米单穗脱粒机



分子生物技术服务

单倍体加倍生产服务
分子相关检测服务
种子纯度检测
土壤农化检测服务



育种服务

第三方试验托管测试服务
玉米测试服务



艾格偌育种信息管理系统

艾格偌育种信息管理系统是在中国农业大学王向峰教授的专业数据统计分析团队支持下开发，面向全行业推出的育种信息化全程管理软件。



功能模块

种质资源信息管理、种质资源实体库管理、分子育种、育种圃管理、试验设计、试验数据管理、数据分析、数据查询、图片管理和视频管理等。

适用对象

种业育种部门、种业测试部门、联合体组织和承接单位、各相关科研院所及高校、个人试验点等

适用范围

玉米、水稻、小麦、大豆，蔬菜、及各种经济作物等

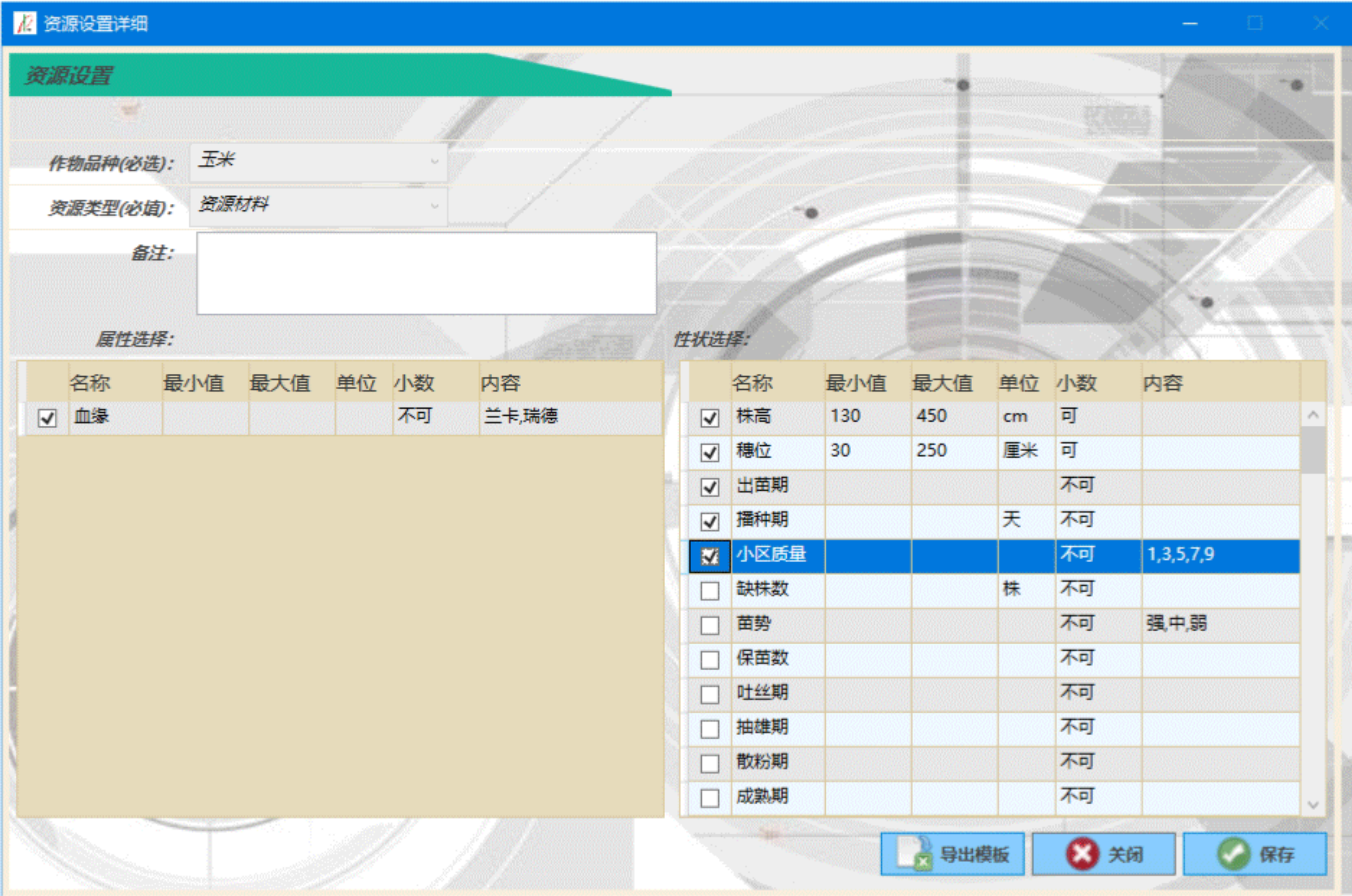
资源属性管理

基础数据设置，增删改查基础功能，配置临界值及不同格式的属性能，配置临界值及不同格式的属性能数据



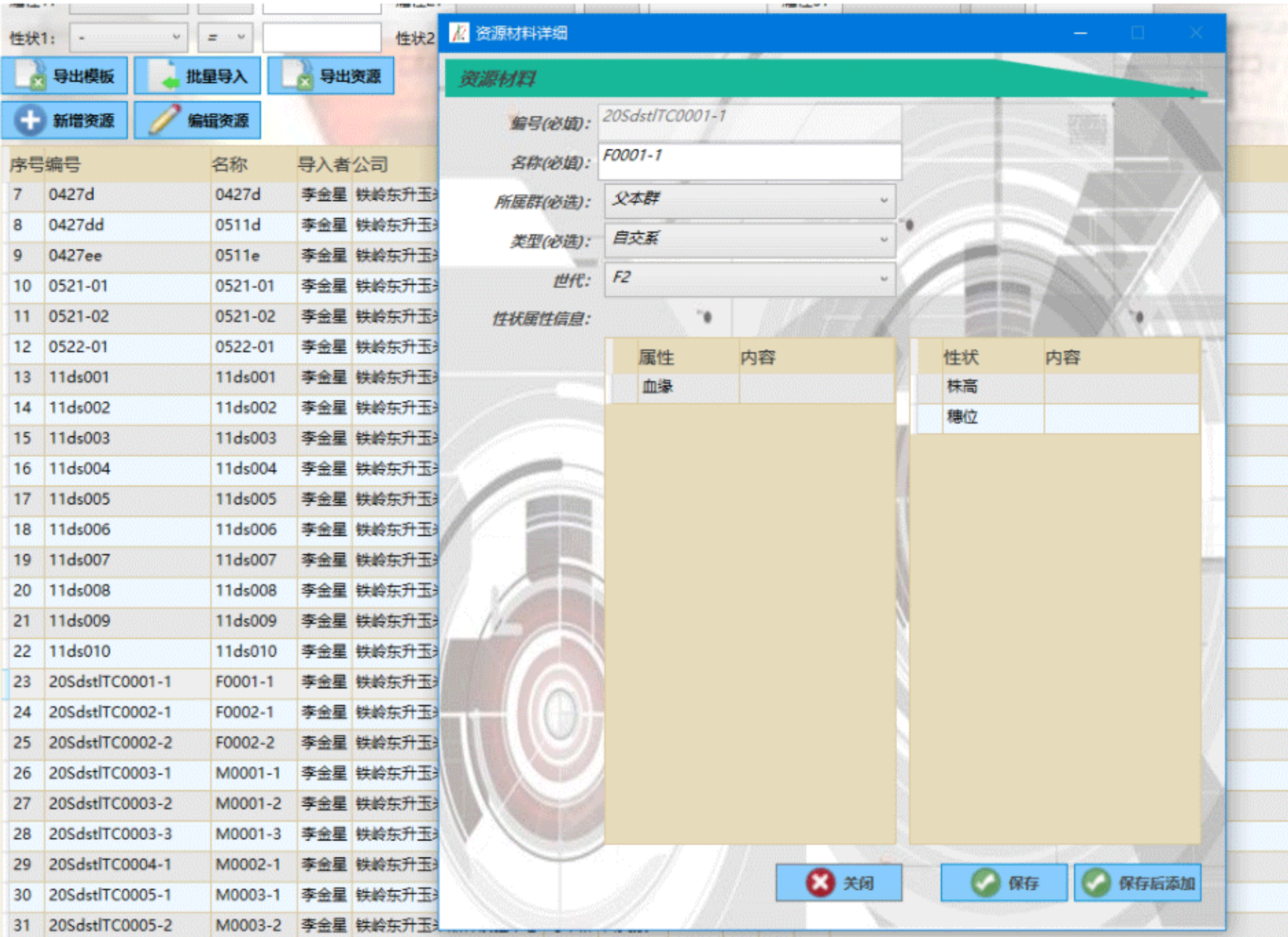
资源设置

对资源的相关属性性状进行管理



材料管理

材料编号，名称及基础属性的维护，提供批量导入导出等快捷功能



资源实体库管理

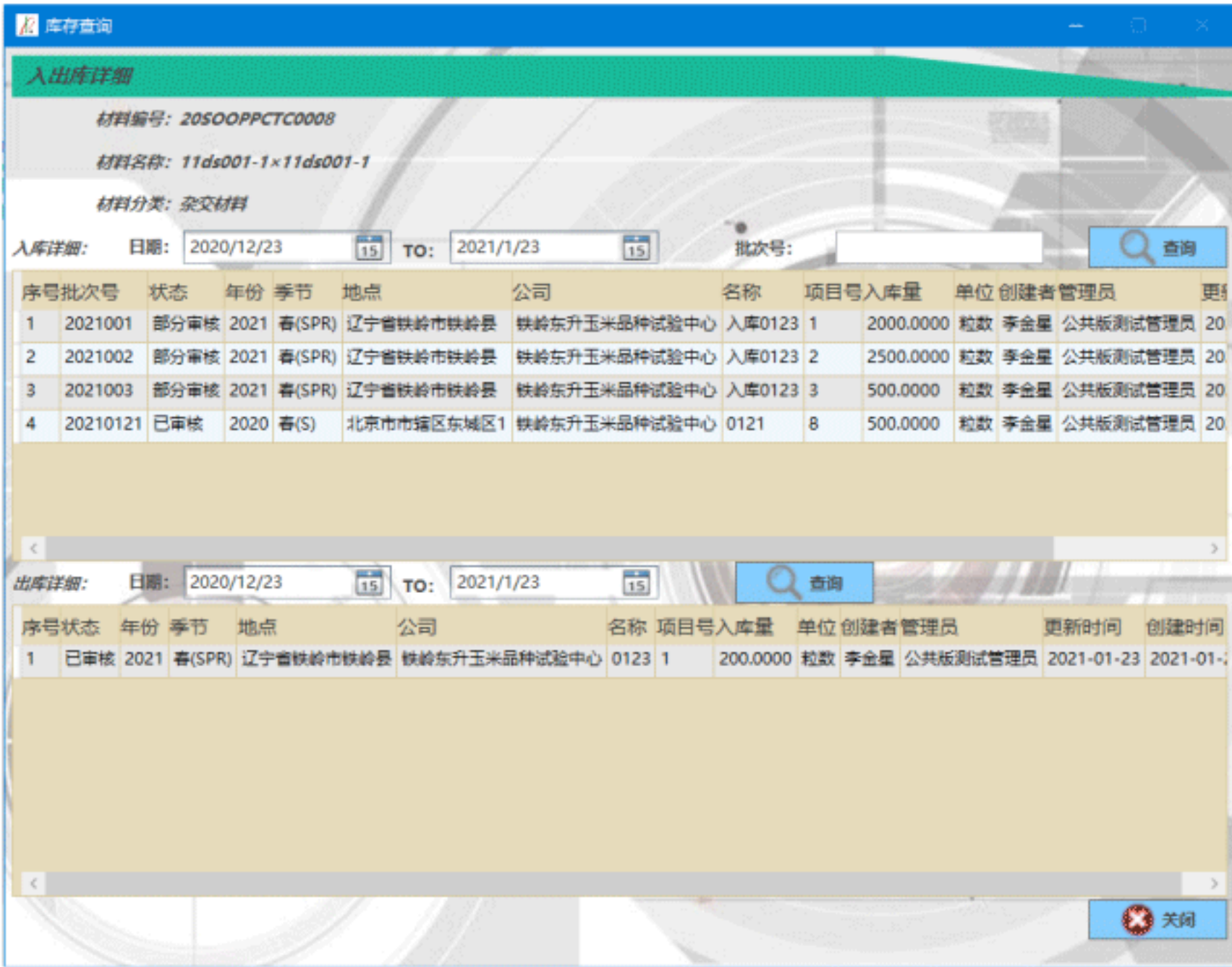
实体库设置

资源单位设置
常用材料单位
库位信息

基础数据维护，对实体仓库进行地点-库房-货柜-层级-格子的区域划分及系统管理

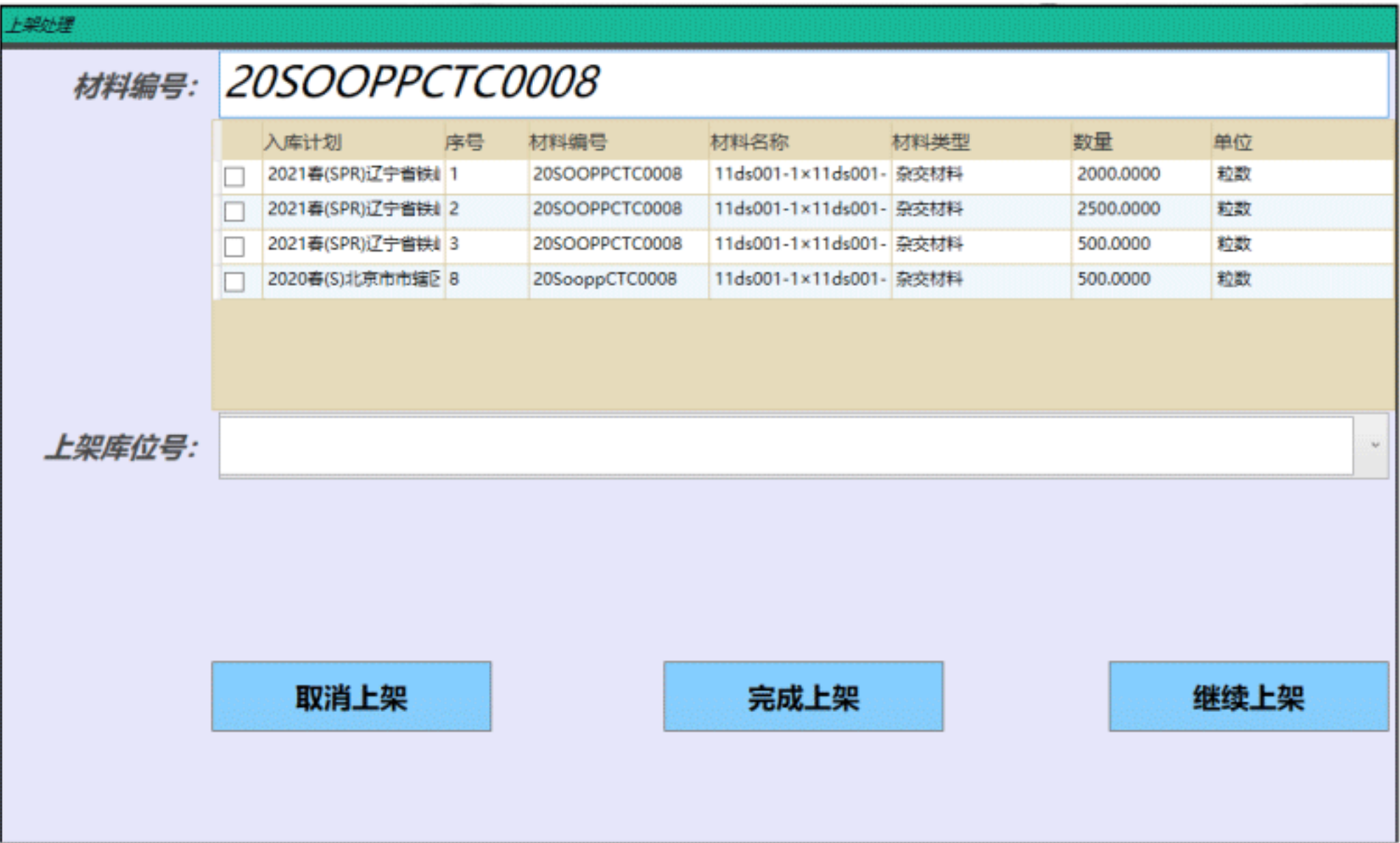
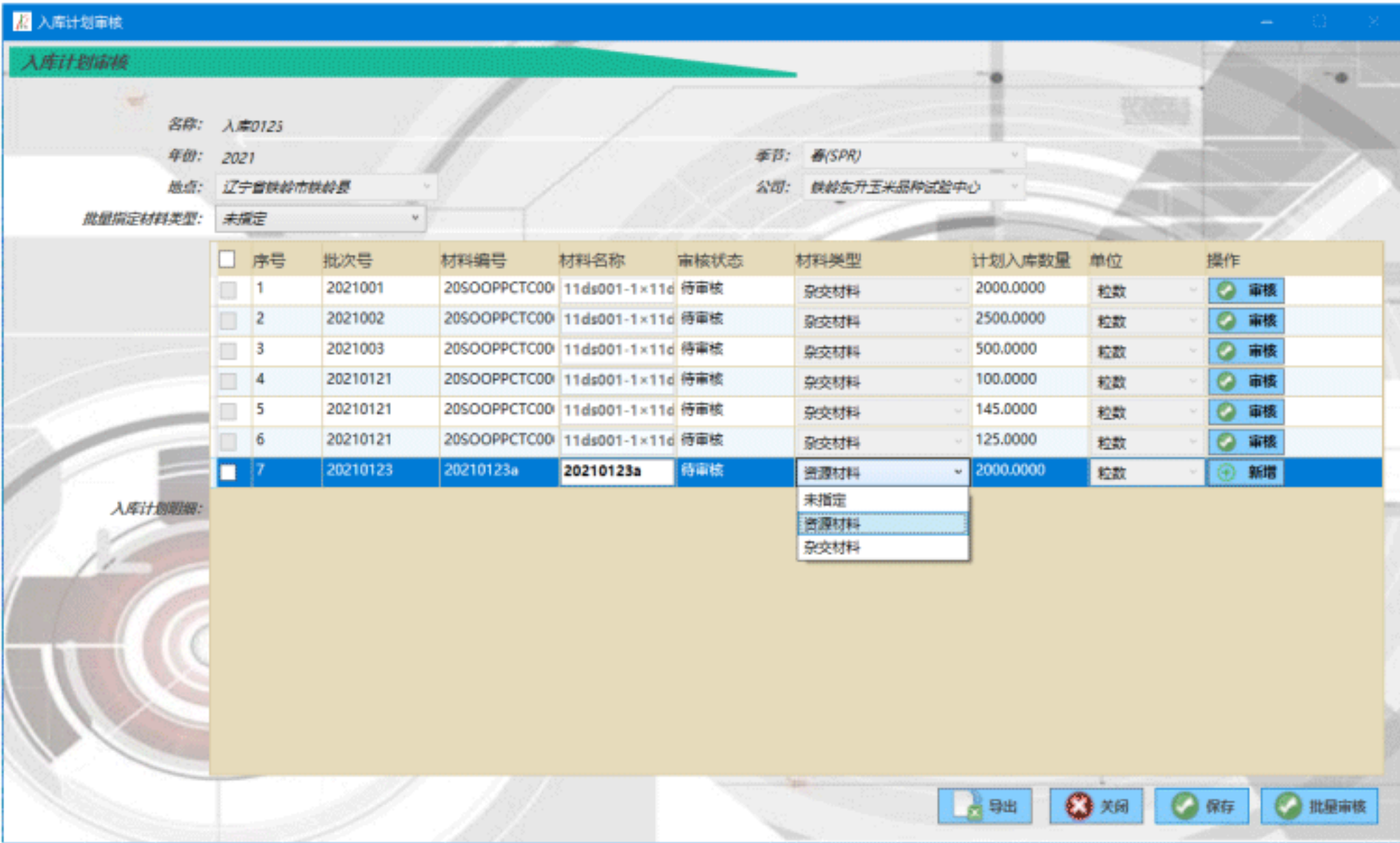
库存查询

可查询或导出材料入出库明细



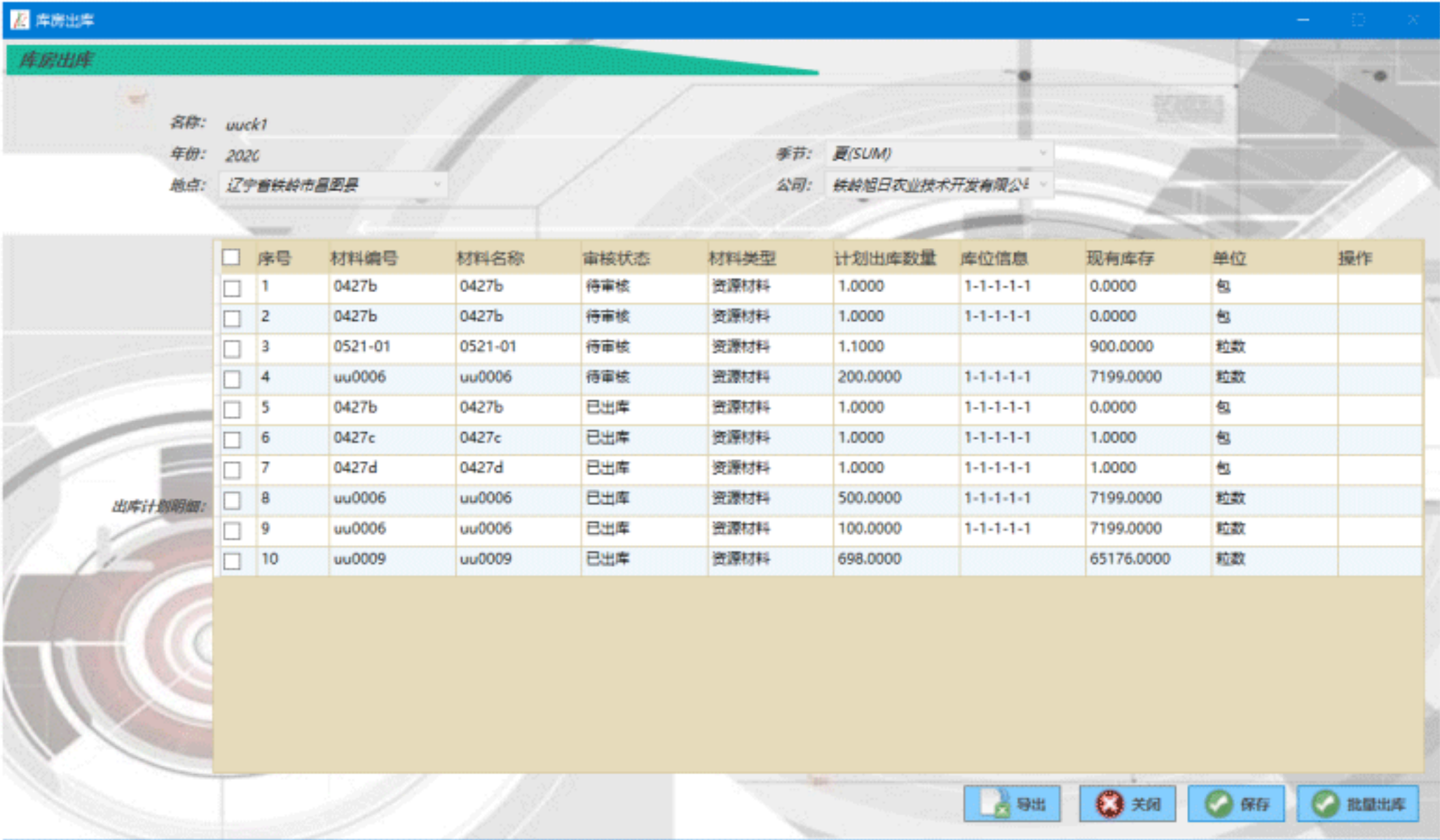
入库管理

分为入库申请、入库审核、入库上架，可配合扫码枪和电子秤使用，使入库更加快捷且数据准确。



出库管理

分为出库申请、出库审核、库房出库，与入库申请功能相对应。



观察圃

DH圃

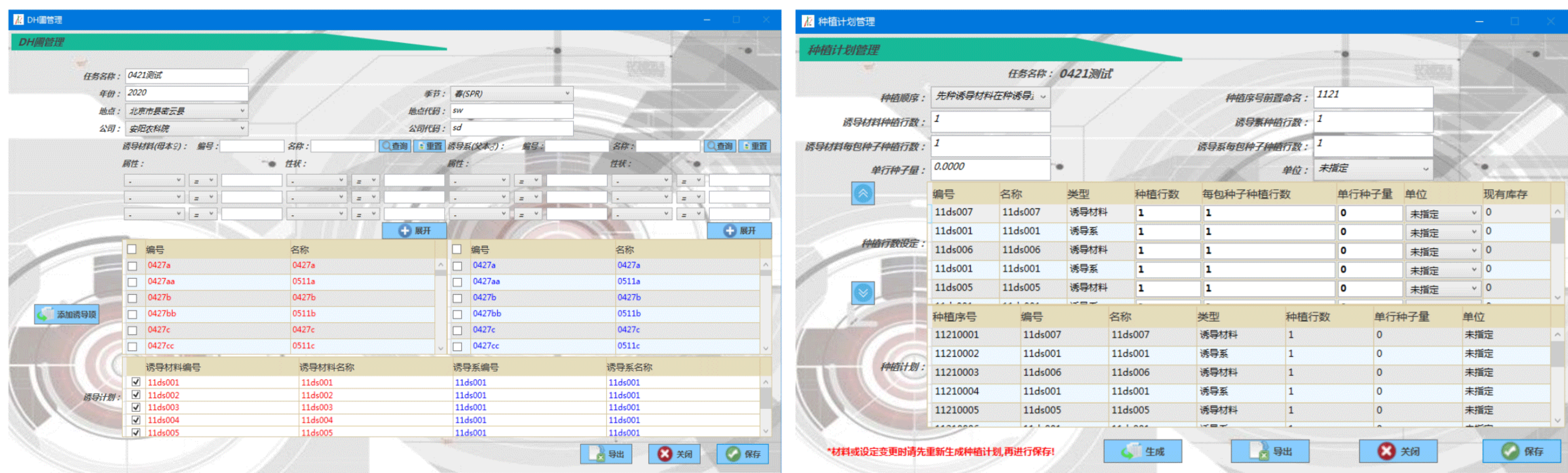
亲本扩繁圃

选系圃

测配圃

复配圃

种植计划、出库计划、种子校对、收获确认，重新批量命名，系谱升级等



育种圃建立

种植计划

产量测试计划



试验设计

各个地点种植计划，支持单点多点，且自由的资源组合。
产量测试计划建立完成后，可直接跳转至试验设计模块。

小区标签	小区号	品种名	排号	区号	材料编号	系谱	地点
AHSBBS1	1	玉米3	1	1	RECID3	A/B-1-1-1-3	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS2	2	玉米5	1	2	RECID5	A/B-1-1-1-5	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS3	3	玉米15	1	3	RECID15	A/B-1-1-1-15	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS4	4	玉米11	1	4	RECID11	A/B-1-1-1-11	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS5	5	玉米9	1	5	RECID9	A/B-1-1-1-9	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS6	6	玉米4	1	6	RECID4	A/B-1-1-1-4	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS7	7	玉米12	1	7	RECID12	A/B-1-1-1-12	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS8	8	玉米1	1	8	RECID1	A/B-1-1-1-1	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS9	9	玉米10	1	9	RECID10	A/B-1-1-1-10	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS10	10	玉米8	1	10	RECID8	A/B-1-1-1-8	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS11	11	玉米2	1	11	RECID2	A/B-1-1-1-2	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS12	12	玉米7	1	12	RECID7	A/B-1-1-1-7	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS13	13	玉米19	1	13	RECID19	A/B-1-1-1-19	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS14	14	玉米17	1	14	RECID17	A/B-1-1-1-17	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS15	15	玉米16	1	15	RECID16	A/B-1-1-1-16	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS16	16	玉米14	1	16	RECID14	A/B-1-1-1-14	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS17	17	玉米13	1	17	RECID13	A/B-1-1-1-13	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS18	18	玉米20	1	18	RECID20	A/B-1-1-1-20	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS19	19	玉米18	1	19	RECID18	A/B-1-1-1-18	安徽省蚌埠市市辖区
AHSBBS20	20	玉米6	1	20	RECID6	A/B-1-1-1-6	安徽省蚌埠市市辖区

导出的设计结果

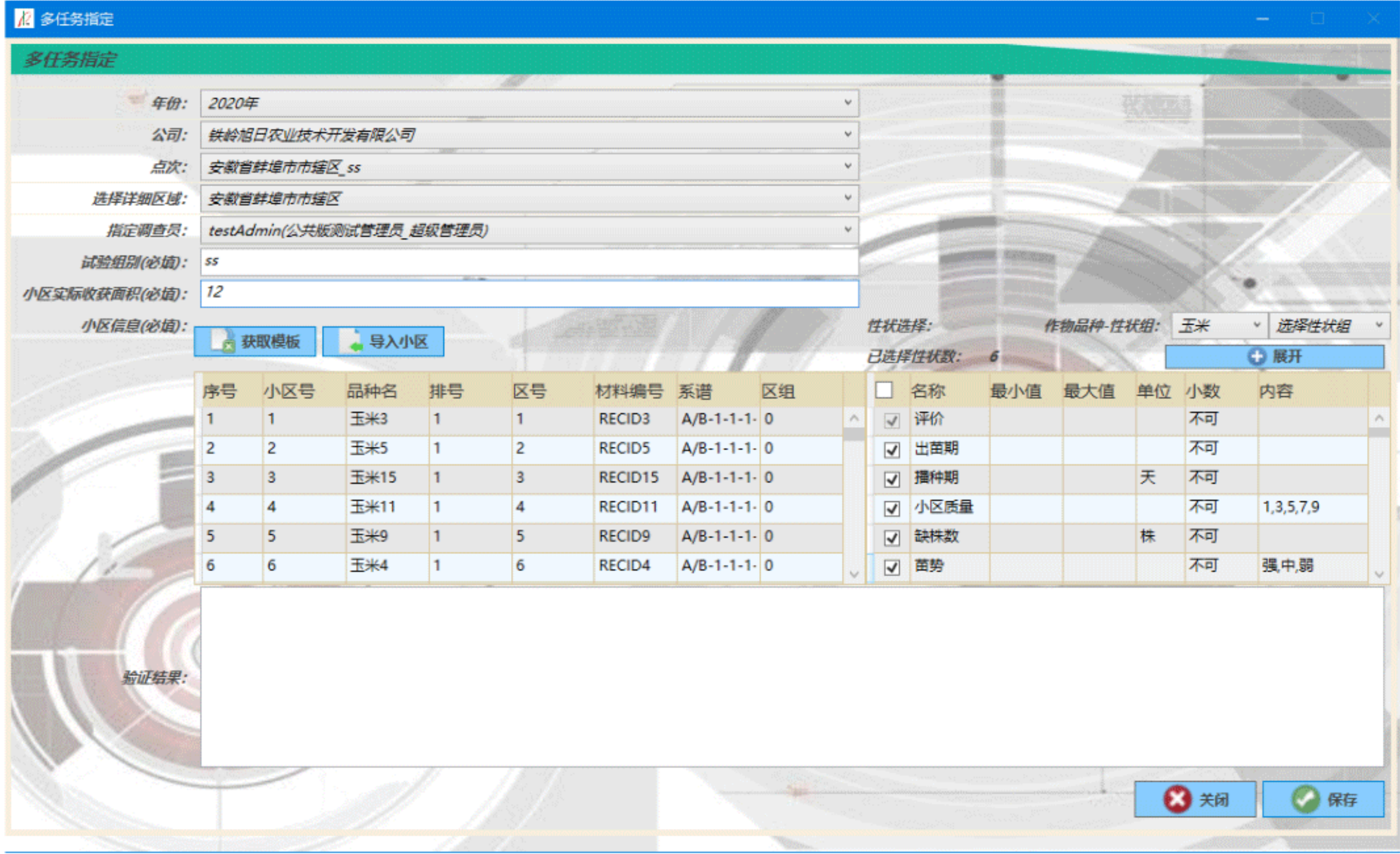
试验生成

试验生成

多种试验任务生成方式，生成一个或多个试验任务。多用户指定、批量复制、分配任务可以实现多任务的灵活分配。



单任务生成页面



多任务生成页面

试验种植图

可对已建立好的试验任务进行种植图生成，即可下载到本地也可在APP中进行种植图查看，并可将生成的排区号更新至试验任务中。（种植图支持外部文件导入，APP同样可查看）

数据维护、数据查看

可查看移动端上传的性状数据，PC端可进行修改、导出及Excel表整体导入。



试验汇总

结合试验设计分类，对纷繁复杂的数据进行自定义汇总，输出数据表格，一目了然。



数据汇总参数设置

系统将自动剔除已被删除的试验!

汇总类型: 间比法

对照品种: XY335 *必填,逗号分隔多对照

相邻对照数: 2 *必填,大于1的整数

剔除对照异常值(*%) 0 *必填,大于等于0

剔除异常值(*%) 0 *必填,大于等于0

关闭 确定

数据汇总参数设置

系统将自动剔除已被删除的试验!

汇总类型: 若干区组

对照品种: XY335 *必填,逗号分隔多对照

区组内小区数: 2 *必填,大于1的整数

剔除对照异常值(*%) 0 *必填,大于等于0

剔除异常值(*%) 0 *必填,大于等于0

关闭 确定

数据汇总参数设置

系统将自动剔除已被删除的试验!

汇总类型: 随机区组

对照品种: XY335 *必填

剔除对照异常值(*%) 0 *必填,大于等于0

剔除异常值(*%) 0 *必填,大于等于0

关闭 确定

随机区组汇总

间比法汇总

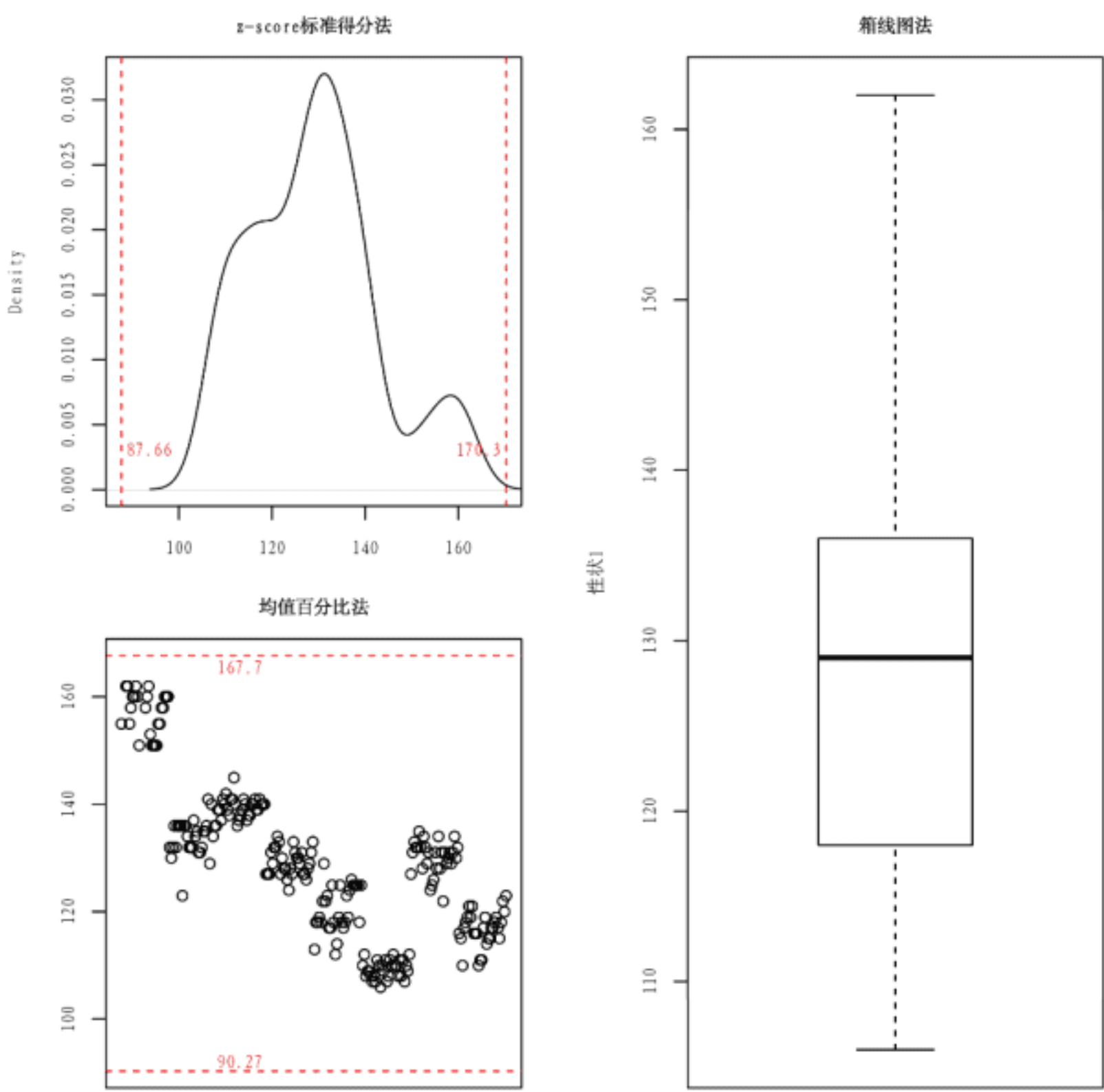
若干区组汇总

汇总结果：全地点总平均亩产、全地点总平均增产比、全地点总平均增产比排名、全地点增/减产点次、全地点增产点率、全地点点内相邻对照平均增产比、全地点点内相邻对照平均增产比排名、全地点点内相邻对照平均增产比数、点内平均亩产、点内平均亩产增产比、点内平均亩产增产比排名

品种名	全地点总平均亩产	全地点总平均亩产总增产比	全地点总平均亩产总排名	全地点总平均亩产总增产比总排名	全地点总平均亩产增/减产点次	全地点总平均亩产增产点率	地点	点内平均亩产	点内平均亩产增产比	点内平均亩产增产比排名
连禾998	713.52	7.84%	1	1	3/1	75%	2019年河北省承德市丰宁满族自治县	670.10	4.89%	2
							2019年河北省张家口市万全县	918.27	17.66%	2
							2019年黑龙江省鸡西市鸡东县	697.18	11.80%	1
							2019年黑龙江省佳木斯市桦南县	568.52	-3.00%	4
萌新早2号	700.65	6.84%	2	2	4/0	100%	2019年河北省承德市丰宁满族自治县	650.42	1.81%	3
							2019年河北省张家口市万全县	825.43	5.76%	4
							2019年黑龙江省鸡西市鸡东县	644.33	3.33%	2
							2019年黑龙江省佳木斯市桦南县	682.42	16.44%	1
连禾168	696.01	5.34%	3	3	2/2	50%	2019年河北省承德市丰宁满族自治县	727.29	13.84%	1
							2019年河北省张家口市万全县	874.05	11.99%	3
							2019年黑龙江省鸡西市鸡东县	608.87	-2.36%	4
							2019年黑龙江省佳木斯市桦南县	573.84	-2.09%	3
德美亚3号(CK)	657.24	0%	4	4	4/0	100%	2019年河北省承德市丰宁满族自治县	638.85	0%	5
							2019年河北省张家口市万全县	780.44	0%	6
							2019年黑龙江省鸡西市鸡东县	623.57	0%	3
							2019年黑龙江省佳木斯市桦南县	586.09	0%	2
北试1648	651.80	-2.85%	5	5	1/3	25%	2019年河北省承德市丰宁满族自治县	606.07	-5.13%	7
							2019年河北省张家口市万全县	991.42	27.03%	1
							2019年黑龙江省鸡西市鸡东县	542.81	-12.95%	6
							2019年黑龙江省佳木斯市桦南县	466.90	-20.34%	6
东运早3号	618.54	-6.82%	6	6	2/2	50%	2019年河北省承德市丰宁满族自治县	648.44	1.50%	4
							2019年河北省张家口市万全县	820.72	5.16%	5
							2019年黑龙江省鸡西市鸡东县	527.72	-15.37%	7
							2019年黑龙江省佳木斯市桦南县	477.29	-18.56%	5
萌新早3号	585.55	-11.78%	7	7	0/4	0%	2019年河北省承德市丰宁满族自治县	629.23	-1.51%	6
							2019年河北省张家口市万全县	756.90	-3.02%	7
							2019年黑龙江省鸡西市鸡东县	554.62	-11.06%	5
							2019年黑龙江省佳木斯市桦南县	401.44	-31.51%	7

异常值检验

箱线图法、z-score标准得分法、均值百分比法

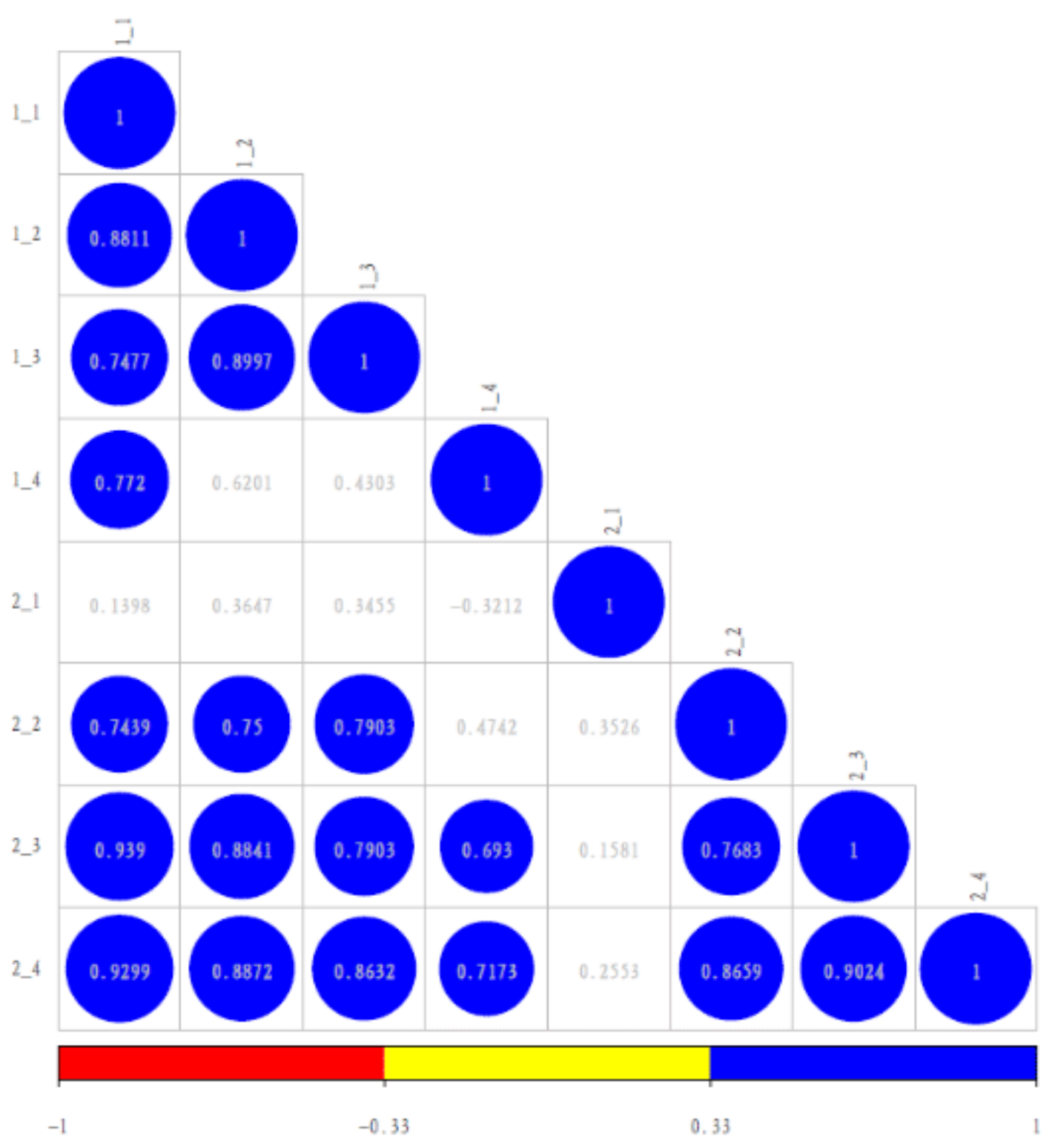


描述性统计

最小值、第一四分位数、中位数、第三四分位数、最大值、众数、算术平均数、几何平均数、调和平均数、极差、方差、标准差、标准误、观测数、变异系数、置信度95%、置信度99%

相关性分析

pearson、spearman、kendall

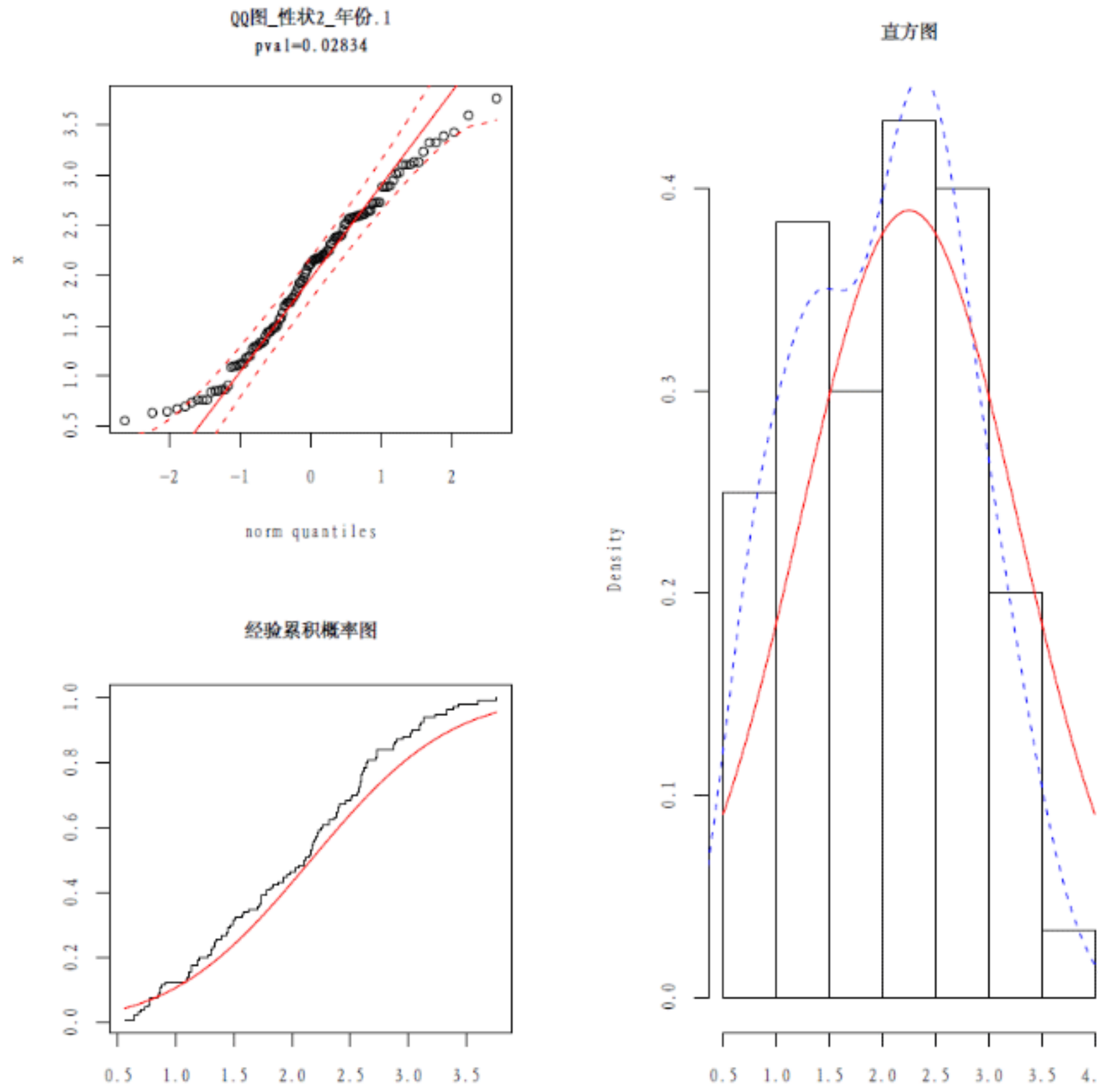


数据转换

- 1.简单的函数转换：平方根转换、平方根转换有零、常用对数转换lg、常用对数转换lg有零、常用对数转换ln、常用对数转换ln有零、反正弦转换百分数
- 2.z-score标准差标准化、min-max极差标准化

线性模型的假设

- 1.正态性检验：Shapiro-Wilk、Lilliefors、Kolmogorov-Smirnov、Pearson chi-square
- 2.方差齐性检验：Bartlett、Levene、Fligner-Killeen



区域试验分析

方差分析

单年多点随机区组设计、多年多点随机区组设计

品种评价

单年多点随机区组设计、多年多点随机区组设计

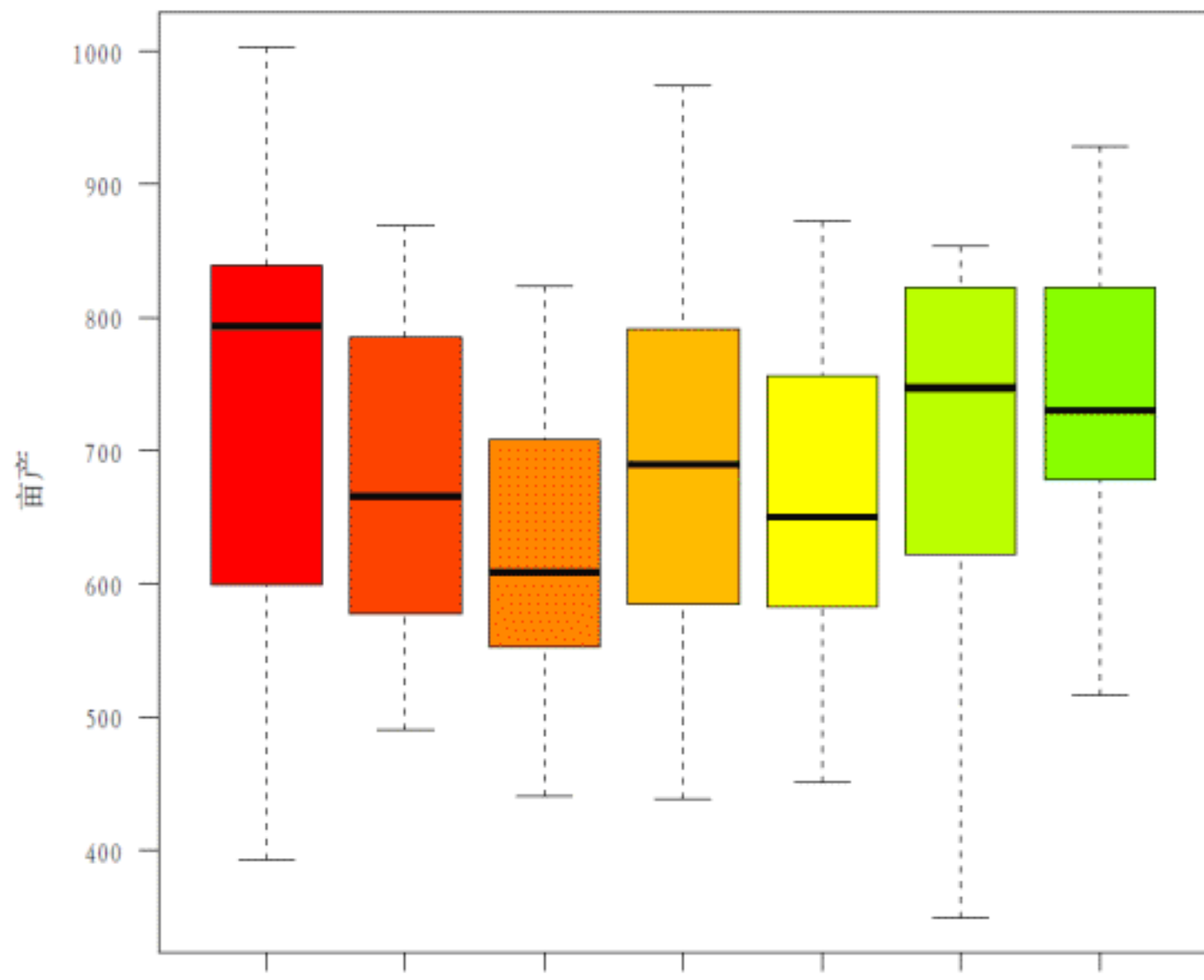
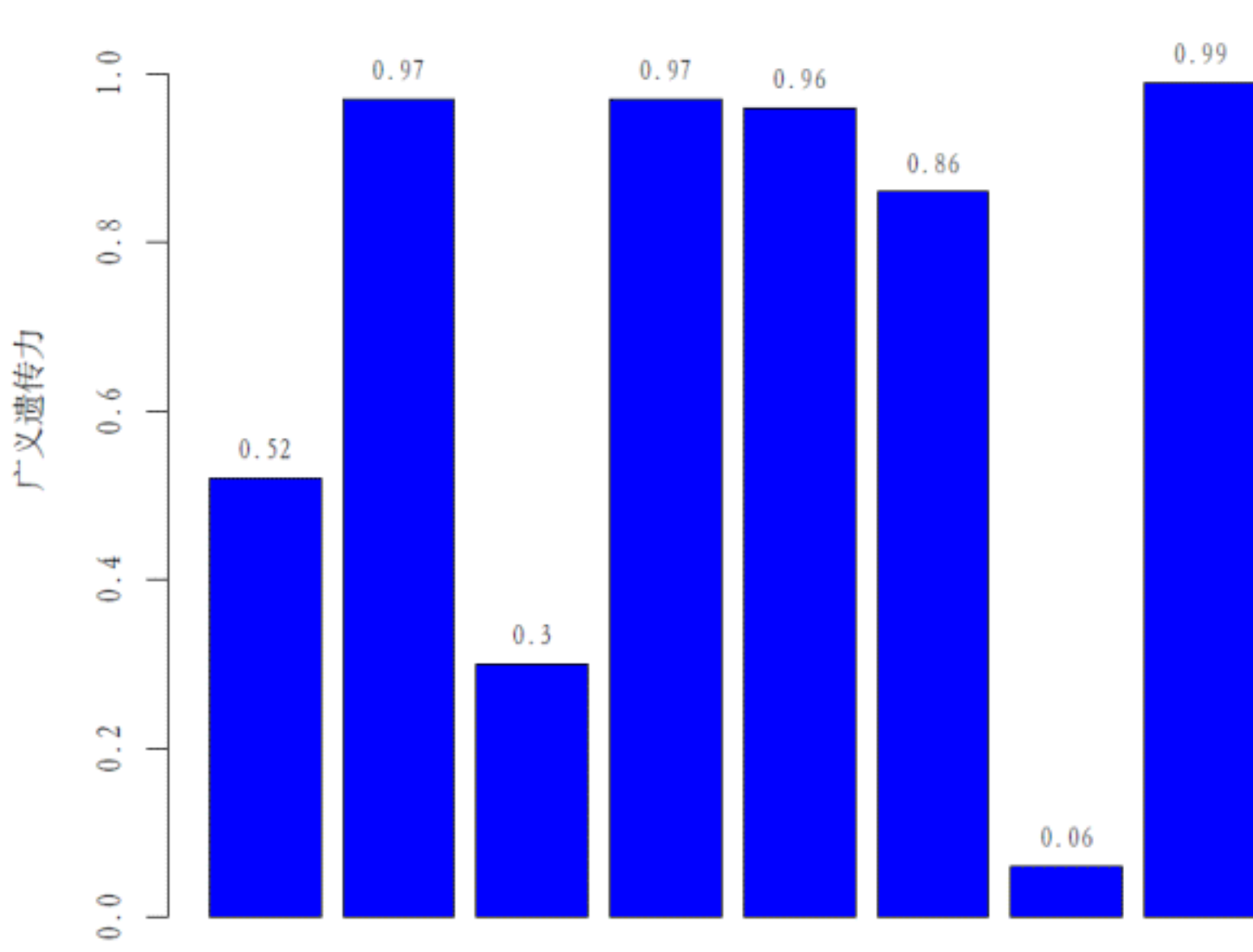
方差分析表						
变异来源	自由度DF	平方和SS	均方MS	F值	P值	显著性
品种	6	210992.5	35165.42	16.82642	3.50E-13	***
地点	7	2480959	354422.7	169.5889	3.89E-51	***
品种X地点	42	335070	7977.856	3.817351	3.05E-08	***
地点内区组	16	32421.42	2026.339	0.96959	0.495509	
试验误差	96	200629.7	2089.893			
总的	167	3260072				
本试验的误差变异系数CV(%)= 6.62239365879864						

试点评价

误差变异系数、品种比较精度、分辨力

品种丰产性和稳定性分析							
品种	亩产	比德美亚3号(CK)±%	效应	方差	标准差	变异度%	Ebehart-Russell回归系数
品种A	725.8225	7.068928957	35.50791667	38330.96251	195.7829474	26.973943	1.449033824
品种B	677.9020833	0	-12.4125	14505.00225	120.4367147	17.76609302	0.895171609
品种C	628.6045833	-7.27206793	-61.71	13283.27308	115.2530827	18.33475062	0.85600688
品种D	695.5875	2.608845304	5.272916667	22421.54433	149.7382527	21.52687516	1.102356491
品种E	658.3120833	-2.889797875	-32.0025	17827.9557	133.521368	20.28238146	1.016551769
品种F	709.17625	4.613375211	18.86166667	16354.19876	127.8835359	18.03268735	0.936188316
品种G	736.7970833	8.687832867	46.4825	11373.66649	106.6473933	14.47445921	0.744691111
各品种稳定性(Shukla方差)分析							
误差:			693.6046581			112	

各试点变异系数%			
地点	地点均值	误差项标准差	变异系数%
地点1	799.1042857	37.10659792	4.643523829
地点2	673.9757143	21.30999419	3.161834134
地点3	669.83	52.89606016	7.896938054
地点4	799.33	20.58582892	2.575385501
地点5	495.42	19.54160714	3.944452613
地点6	677.7785714	53.55036797	7.900864711
地点7	537.3404762	90.34952531	16.81420427
地点8	869.737619	13.46008013	1.547602385
各试点广义遗传力分析			
综合遗传力:	0.65010893		



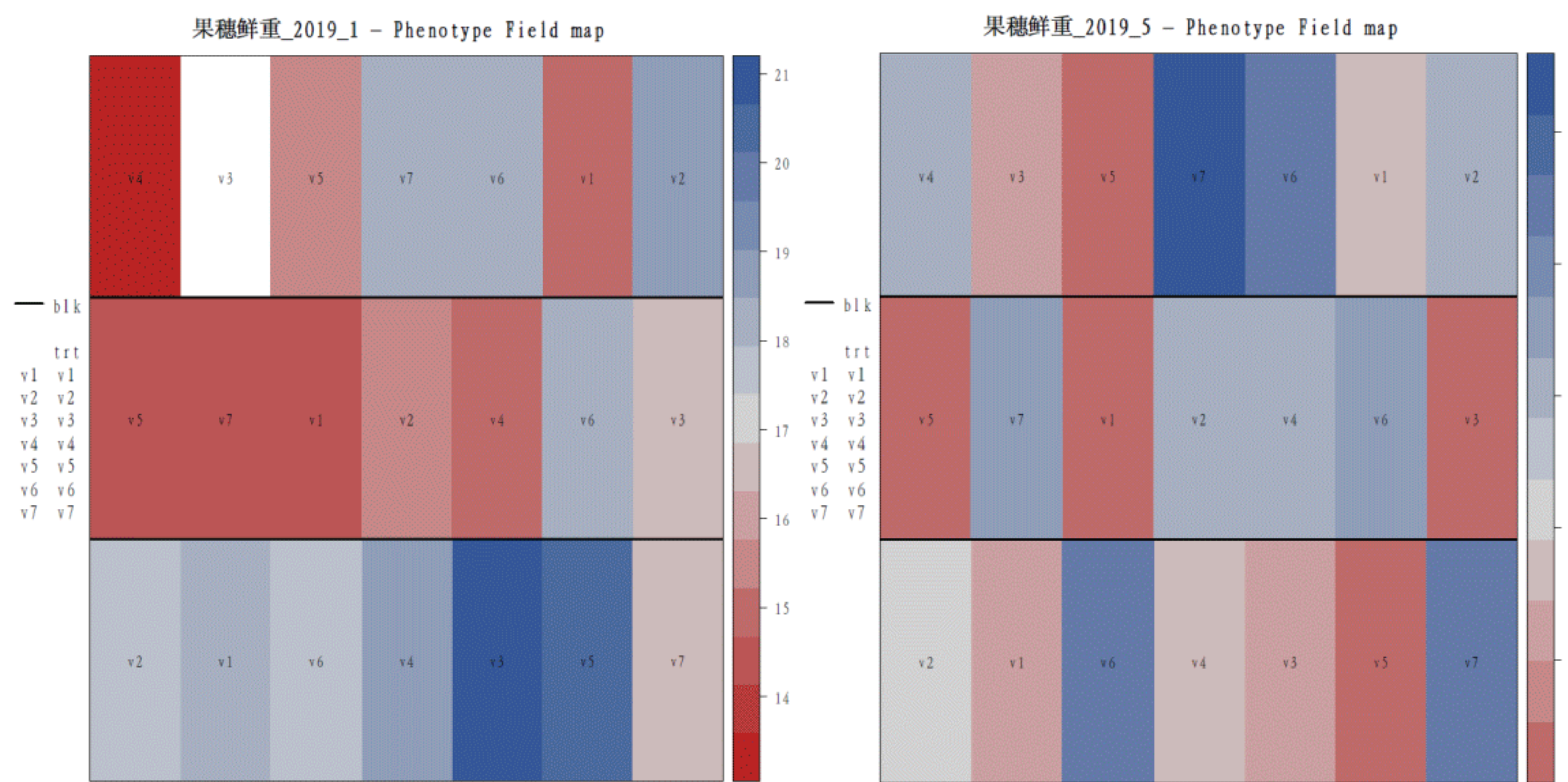
各品种基本统计							
参数	品种A	品种B	品种C	品种D	品种E	品种F	品种G
最小值	392.8	490.55	440.8	438.03	450.63	349.46	516.63
第一四分位数	599.295	577.455	553.07	584.37	582.395	622.655	677.83
中位数	793.08	665.705	608.465	689.66	649.85	747.315	730.475
第三四分位数	839.195	785.49	707.86	791.385	756.305	822.49	822.305
最大值	1003.32	869.12	823.36	974.19	872.32	854.03	928.06
观察值数	24	24	24	24	24	24	24

常用田间试验统计分析

正态分布和方差同质性检验
Shapiro-Wilk检验
Bartlett检验
Levene检验

多重比较分组结果							
	trt	emmean	SE	df	lower.CL	upper.CL	.group
1	v1	15.76667	0.967527	11	13.63715	17.89618	1
4	v4	15.87667	0.967527	11	13.74715	18.00618	1
7	v7	16.45	0.967527	11	14.32049	18.57951	1
5	v5	16.65	0.967527	11	14.52049	18.77951	1
2	v2	17.2	0.967527	11	15.07049	19.32951	1
6	v6	18	0.967527	11	15.87049	20.12951	1
3	v3	18.57889	1.217445	11	15.89931	21.25847	1
遗传力	h2 = 0.00646226240449509						

对比法/间比法试验统计分析
邻近对照增产比
相邻两对照平均数增产比



方差分析
随机区组试验
裂区试验
格子试验
增广试验等

Analysis of Variance Table					
	gamma	component	std.error	z.ratio	constraint
trt	6.18E-07	1.74E-06	0	Inf	Boundary
Residual	1.00E+00	2.81E+00	0.89011	3.162306	Positive
试点误差变异系数					
CV% = 9.95305413639875					
试点的品种分辨力——品种间遗传变异系数					
GCV% = 0.00782316312596791					
遗传力					
h2 = 1.72985348053056e-06					

混合线性模型
BLUP值
BLUE值

Analysis of Variance Table					
	gamma	component	std.error	z.ratio	constraint
trt.果穗鲜重	0.000158	0.000465	0.00532	0.087347	Positive
trt.果穗鲜重_trt.籽粒鲜重	0.006348	0.014228	0.090457	0.15729	Positive
trt.籽粒鲜重	0.273003	0.48641	0.32553	1.494209	Positive
Residual.果穗鲜重	1	2.9378	0.98396	2.98569	Positive
Residual.果穗鲜重_Residual.籽粒鲜重	1	2.2414	0.75846	2.955199	Positive
Residual.籽粒鲜重	1	1.7817	0.60349	2.952327	Positive
试点误差变异系数					
果穗鲜重					籽粒鲜重
10.16819					10.20232
试点的品种分辨力——品种间遗传变异系数					
果穗鲜重					籽粒鲜重
0.1278793					5.3306828
遗传力					
果穗鲜重					籽粒鲜重
0.000442669					0.433238073
性状间相关性					
	果穗鲜重				籽粒鲜重
果穗鲜重	1				0.9464005
籽粒鲜重	0.9464005				1

空间分析
多性状分析
遗传力分析

增广试验分析

单点/多点分析

1.方差分析

2.混合线性模型BLUP值

3.混合线性模型BLUE值

4.空间分析BLUP值

5.空间分析BLUE值

6.空间分析行列效应BLUP值

7.系谱分析

8.系谱空间分析

9.系谱空间行列效应分析

10.多性状混合线性模型BLUP值

11.多性状系谱分析

```
性状.Yield1: 年份X地点.2019_1
性状.Yield1: 年份X地点.2019_2
性状.Yield2: 年份X地点.2019_1

Analysis of Variance Table

              gamma component std.error  z.ratio constraint
trt           1.52039707    5452.60    1056.80  5.159538    Positive
factor(row)  0.05653459     202.75     167.30  1.211895    Positive
factor(col)  0.49544098     1776.80     571.58  3.108576    Positive
spatial      0.27367482     981.48     486.51  2.017389    Positive
Residual     1.00000000    3586.30     906.83  3.954766    Positive

试点误差变异系数
CV% = 6.52816609891243

试点的品种分辨率——品种间遗传变异系数
GCV% = 8.04951487630679

遗传力
h2 = 0.603237119561008

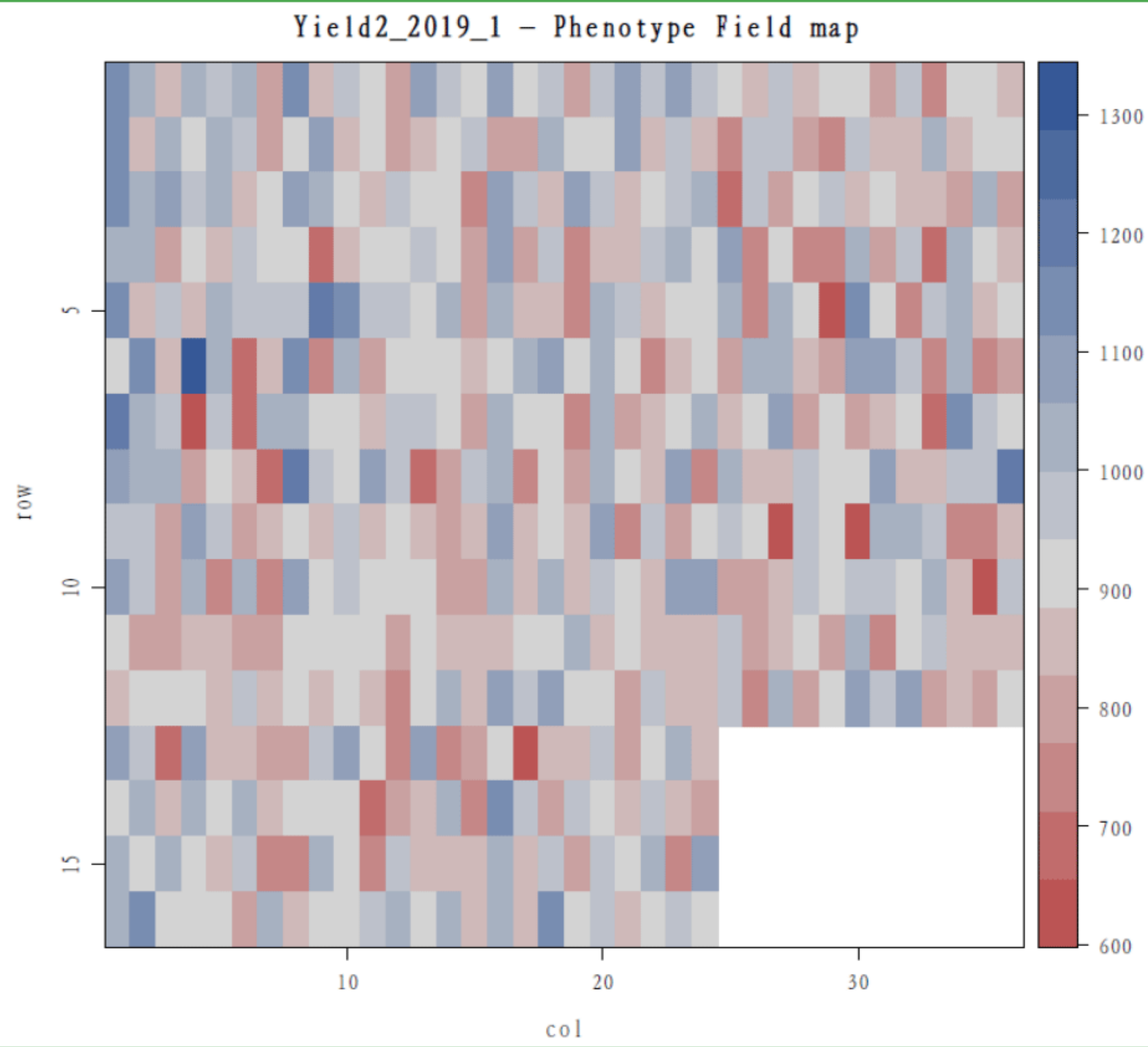
性状.Yield2: 年份X地点.2019_2

Analysis of Variance Table

              gamma component std.error  z.ratio constraint
trt           1.59586427    5309.60    1422.70  3.732059    Positive
factor(row)  0.09174957     305.26     221.26  1.379644    Positive
factor(col)  0.40705119    1354.30     595.97  2.272430    Positive
spatial      0.65354212    2174.40     684.56  3.176347    Positive
Residual     1.00000000    3327.10    1307.50  2.544627    Positive

试点误差变异系数
CV% = 5.61411508677802

试点的品种分辨率——品种间遗传变异系数
```



```
性状.Yield1: 年份X地点.2019_1

Analysis of Variance Table

              gamma component std.error  z.ratio constraint
blk           0.3968809      2.4609      1.8448  1.333966    Positive
Residual 1.00000000      6.2006      1.2902  4.805922    Positive

试点误差变异系数
CV% = 10.4732997145789
```

```
性状.Yield1: 年份X地点.2019_2

Analysis of Variance Table

              gamma component std.error  z.ratio constraint
blk           0.04437179   0.075929   0.29442  0.2578935    Positive
Residual 1.00000000   1.711200   0.47417  3.6088323    Positive

试点误差变异系数
CV% = 5.31302620840227
```

```
性状.Yield2: 年份X地点.2019_1

Analysis of Variance Table

              gamma component std.error  z.ratio constraint
blk           0.03528272    231.31     921.08  0.2511291    Positive
Residual 1.00000000   6555.90    1365.90  4.7996925    Positive

试点误差变异系数
CV% = 8.82640899896604
```

```
性状.Yield2: 年份X地点.2019_2

Analysis of Variance Table
```

```
性状.Yield1: 年份X地点.2019_1

Analysis of Variance Table

Response: y
          Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
区组      10  159.9    15.986   2.5728 0.0145497 *
选系     469 4079.9     8.699   1.4000 0.0794660 .
对照        2  125.3    62.647 10.0825 0.0002339 ***
误差      46  285.8     6.213
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

多重比较_各类平均数差数的标准误
```

	Std Error	Diff
两个对照的比较	1.062885	
同区组两个选系的比较	3.525191	
不同区组两个选系的比较	4.070540	
对照和选系的比较	2.942996	

```
试点误差变异系数
CV% = 10.4841767461179
```

```
性状.Yield1: 年份X地点.2019_2

Analysis of Variance Table

Response: y
          Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
区组      10   20.02    2.002   1.1786 0.3483567
选系     489 2602.53    5.322   3.1335 0.0004443 ***
对照        2  120.74    60.370 35.5437 3.644e-08 ***
误差      26   44.16    1.698
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

多重比较_各类平均数差数的标准误
```

	Std Error	Diff
两个对照的比较	0.5557118	
同区组两个选系的比较	1.8430876	
不同区组两个选系的比较	2.1282142	

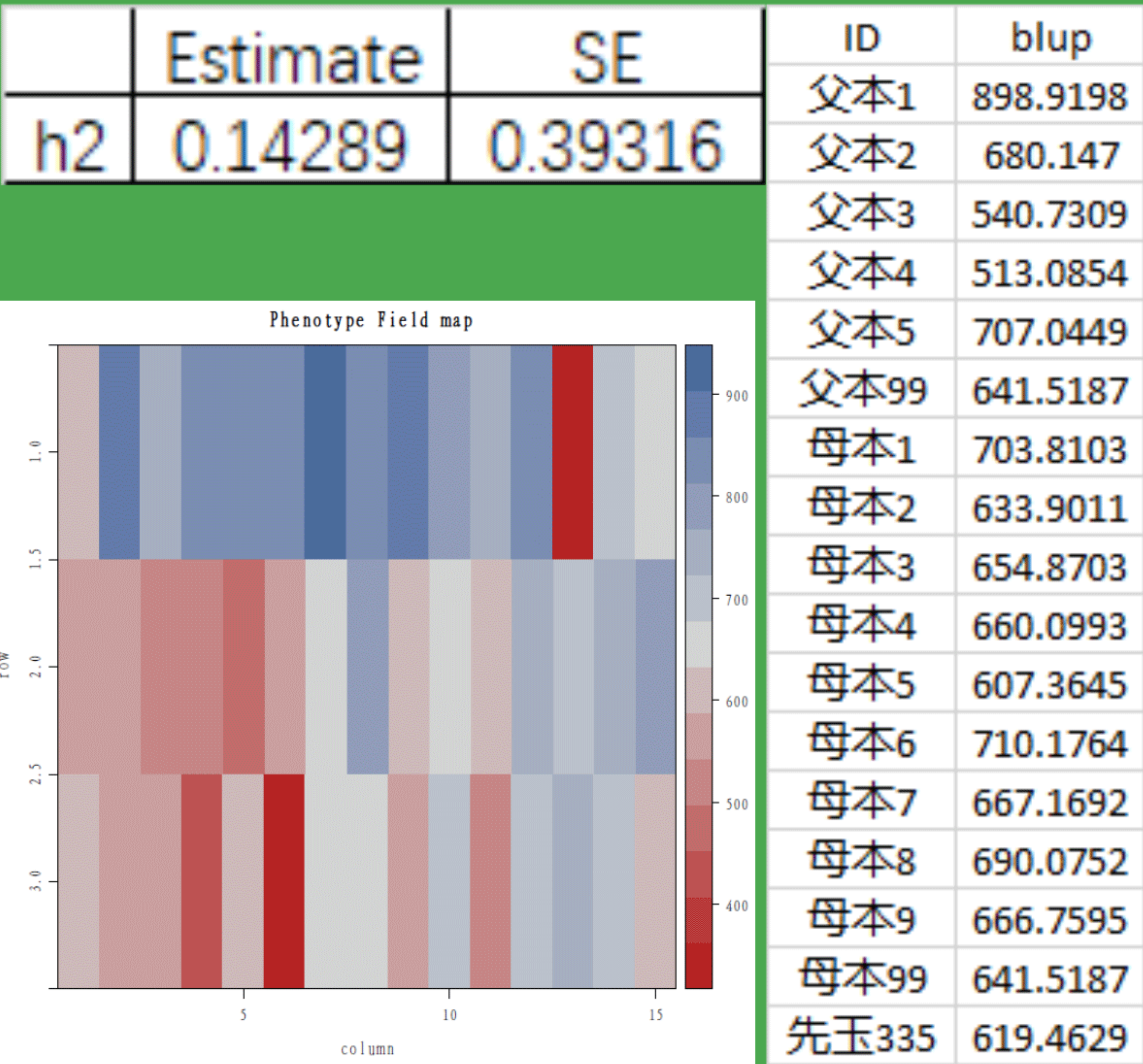
配合力分析&其他分析

配合力分析

配合力的双列杂交分析
配合力的不完全双列杂交分析
遗传力分析

BLUP育种值

系谱分析
基因组选择



全基因组关联分析

在全基因组范围内筛选可能影响目标农艺性状的遗传变异

其它常用统计分析

t检验
分类资料的统计分析
卡方检验
Fisher精确检验
Cochran-Mantel-Haenszel检验
Logistic模型

非参数分析

Mann-Whitney U检验
Wilcoxon秩和检验
Kruskal-Wallis秩和检验
Ansari-Bradley检验
Friedman秩方差检验

常见多元统计分析

主成分分析、聚类分析

分子育种分析

1 基因型数据分析

- SNPS的筛选
- 主成分分析
- 遗传多样性

- 遗传关系
- 聚类分析

- 群体结构分析
- 进化树构建

2 基因组选择

基于分子标记估计育种值，以及对未知表型进行预测

- 机器学习方法

- 贝叶斯方法L

- BLUP方法

3 全基因组关联分析GWAS

在全基因组范围内筛选可能影响目标农艺性状的遗传变异

- 筛选性状相关QTLs或基因

- Q-Q图

- 曼哈顿图

4 数量性状位点QTL定位

- 遗传图谱的构建

- QTL作图

5 分子设计育种

有利基因的聚合，涉及基因网络、一因多效等

1.GGE双标图

2.品种适应区域

3.热点图

4.系谱图

5.线性回归图

6.表型诊断图

7.品种折线图

8.品种均值图

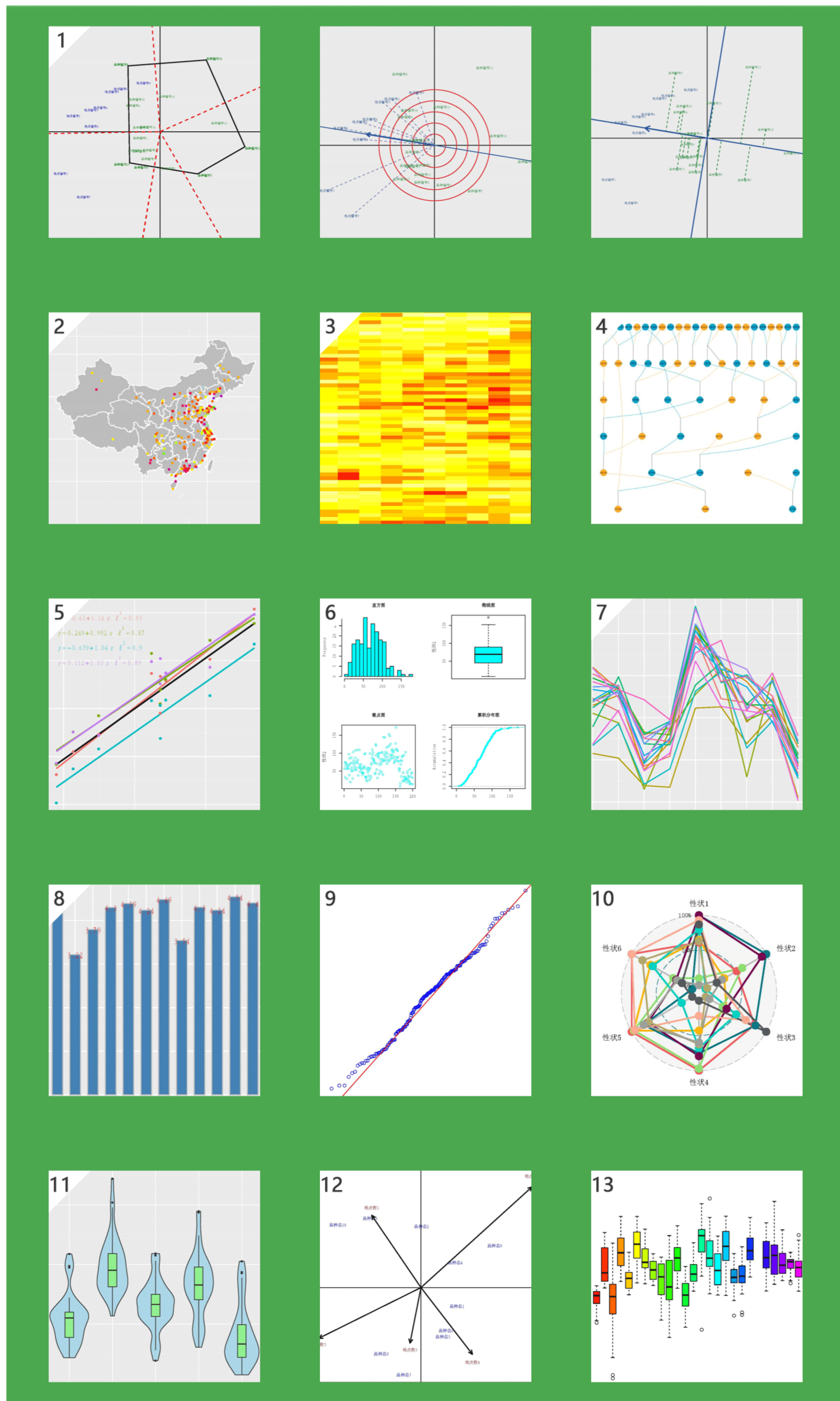
9.正态分布图

10.雷达图

11.小提琴图

12.AMMI

13.箱线图



图片&视频管理

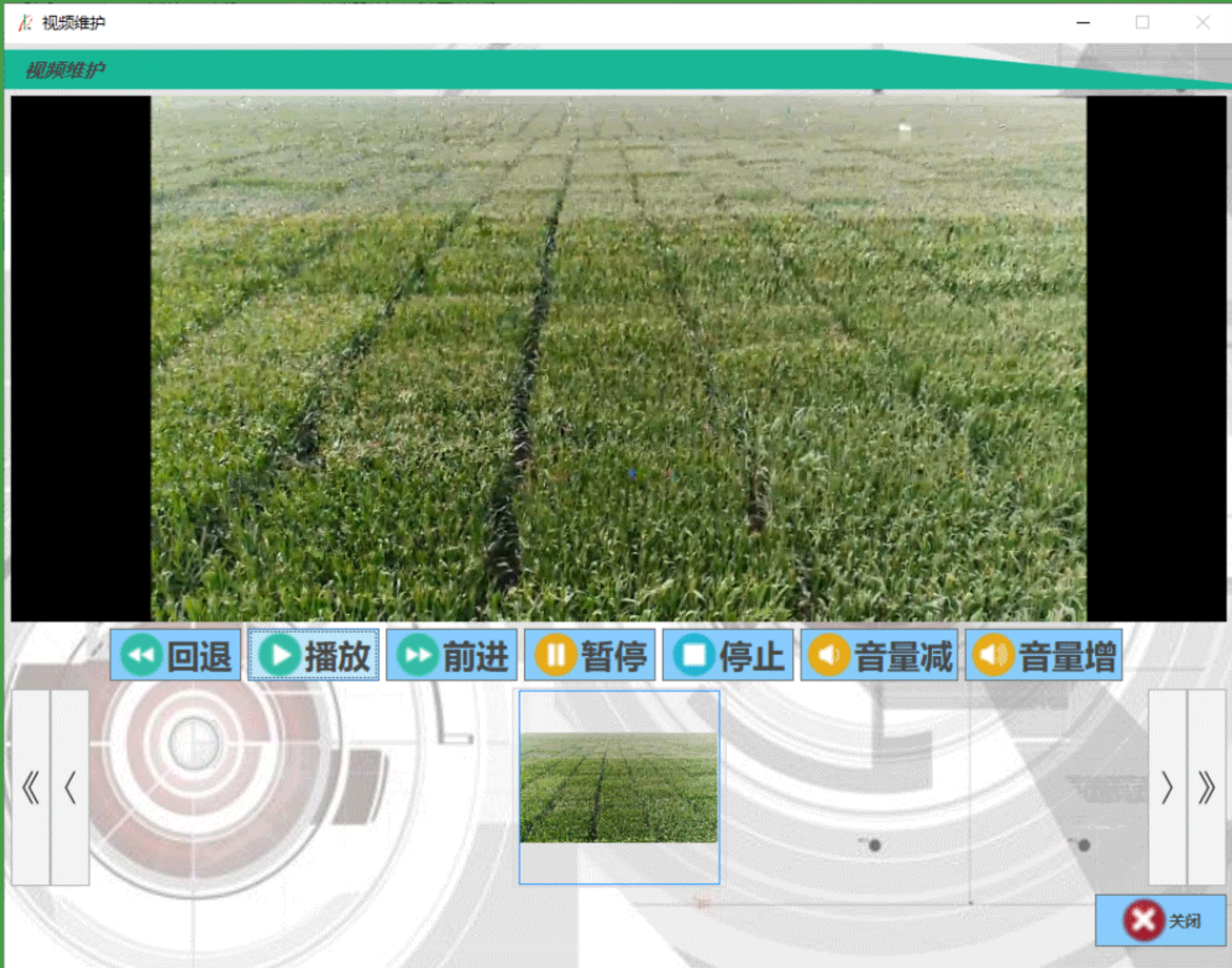
图片维护

- 图片查看
- 图片导入
- 图片导出
- 图片水印
- 图片分期设置



视频维护

- 视频查看
- 视频导入
- 视频导出
- 视频分期设置



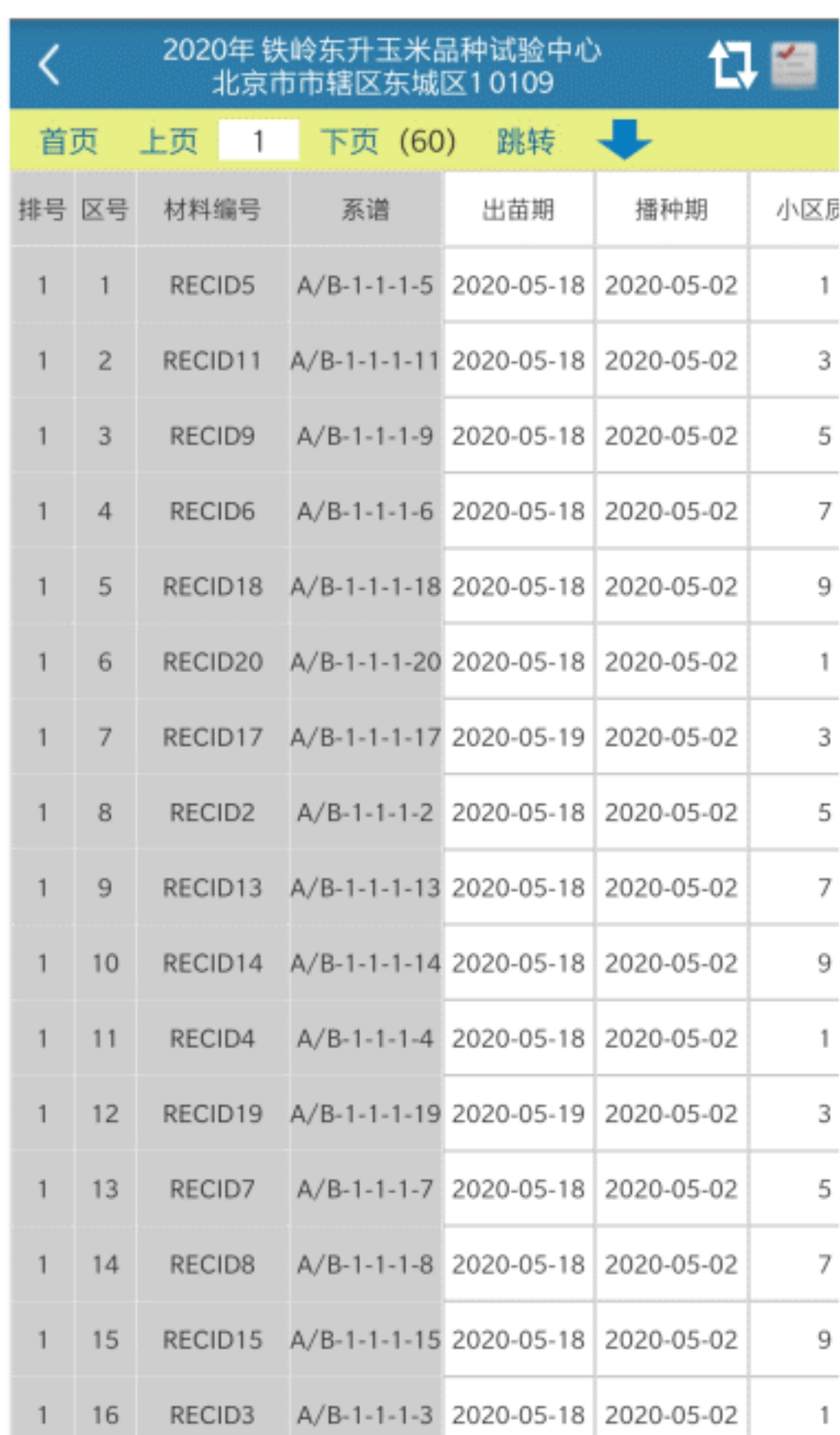
图片汇总

可以指定一个或多个
图片时期，然后指定
一或多个品种的进行
汇总查看及导出。



艾格倬田间数据采集系统

艾格佶田间数据采集系统APP端



横版页面



竖版页面



性状选择



性状排序



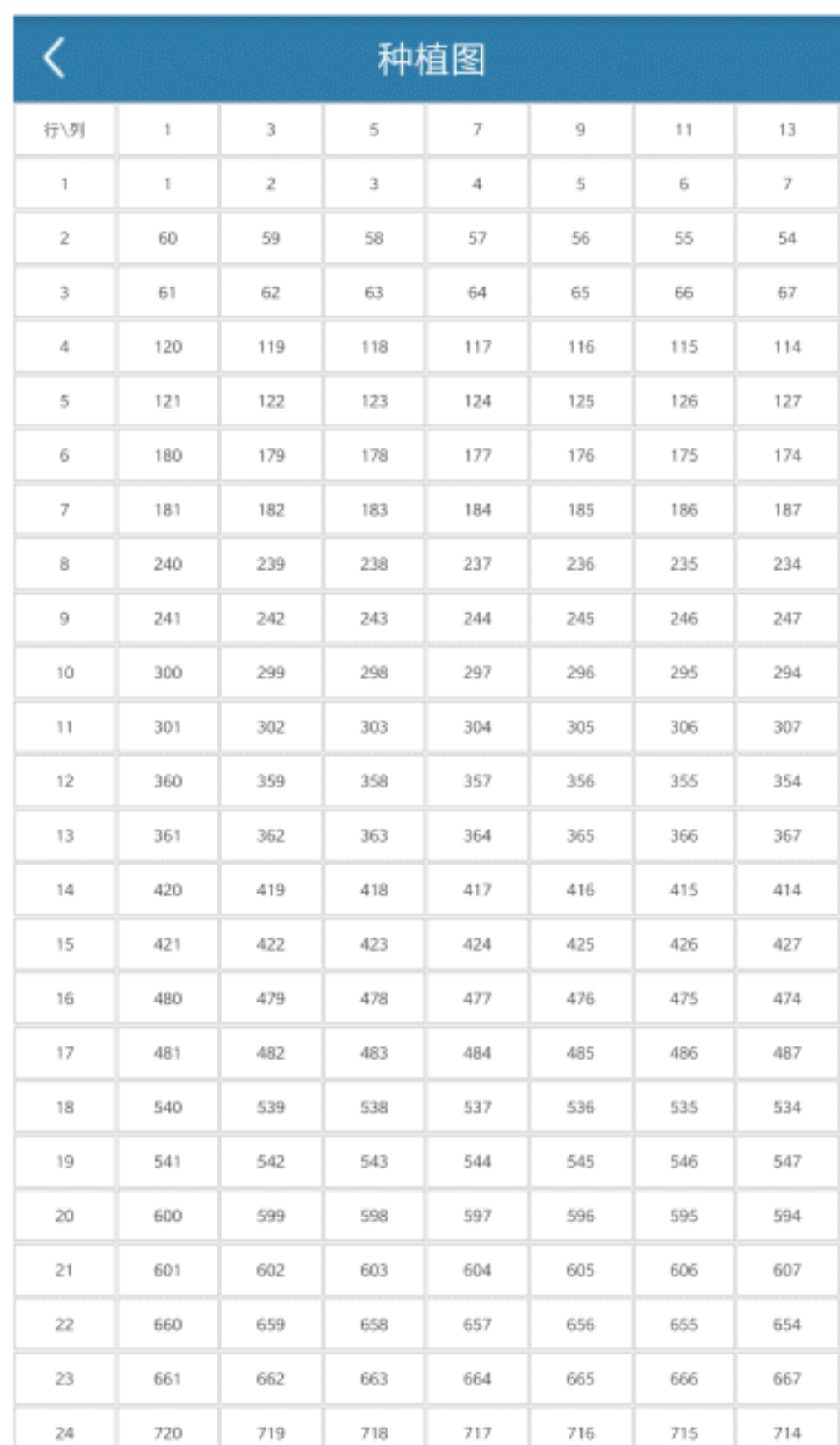
筛选性状



走向方式



图片预览



种植图查看



视频预览



页面缩放



图片水印



系统设置

更多功能：数据上传，数据同步，批量输入，多值输入，手势翻页，拍区号翻页，扫码定位，常用词，数据预览，自动保存，位置记录，已上传图片&视频查看，中英文切换

艾格偌育种信息管理系统-APP端

APP功能页面



APP主页面

资源信息管理

可以查看系统中材料的详细信息。

实体库管理

查询库存信息，并进行入库出库操作。

育种圃

采集各个育种圃的信息。

实体库管理-库存查询



实体库管理-入库



通过APP对系统中的材料进行管理，并可配合扫描枪与电子秤连接进行材料入库申请、入库上架操作

实体库管理-出库



通过APP对系统中的材料进行管理，并可配合扫描枪与电子秤连接进行材料出库申请、库房出库操作

艾格偌田间数据采集系统-单机版

APP单机版可脱离服务器，直接在手机上创建任务及性状，随时随地准确记录田间信息。

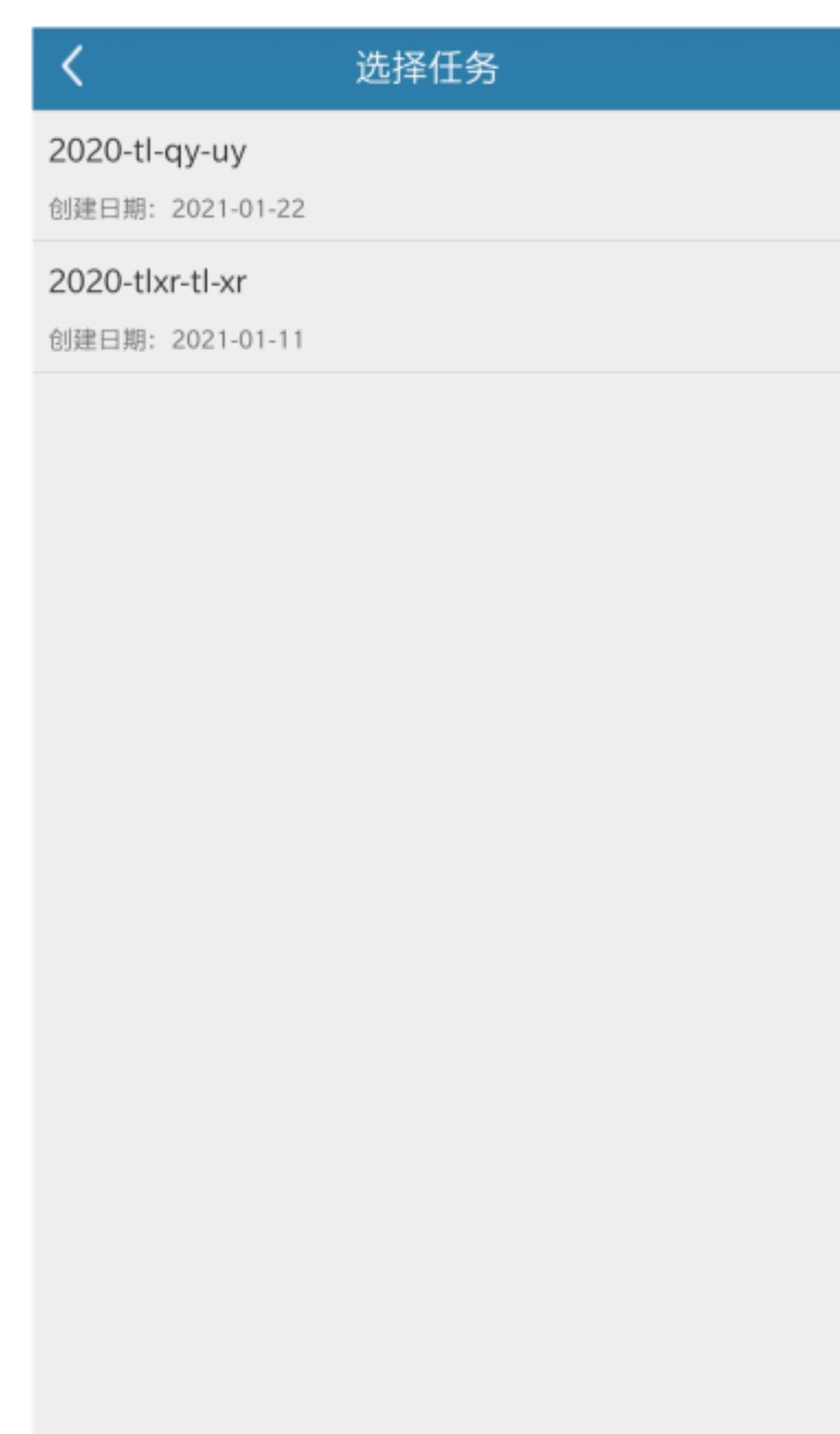
APP功能页面



单机版主页面

- 1、任务创建
- 2、任务管理
- 3、功能设置

任务选择和管理

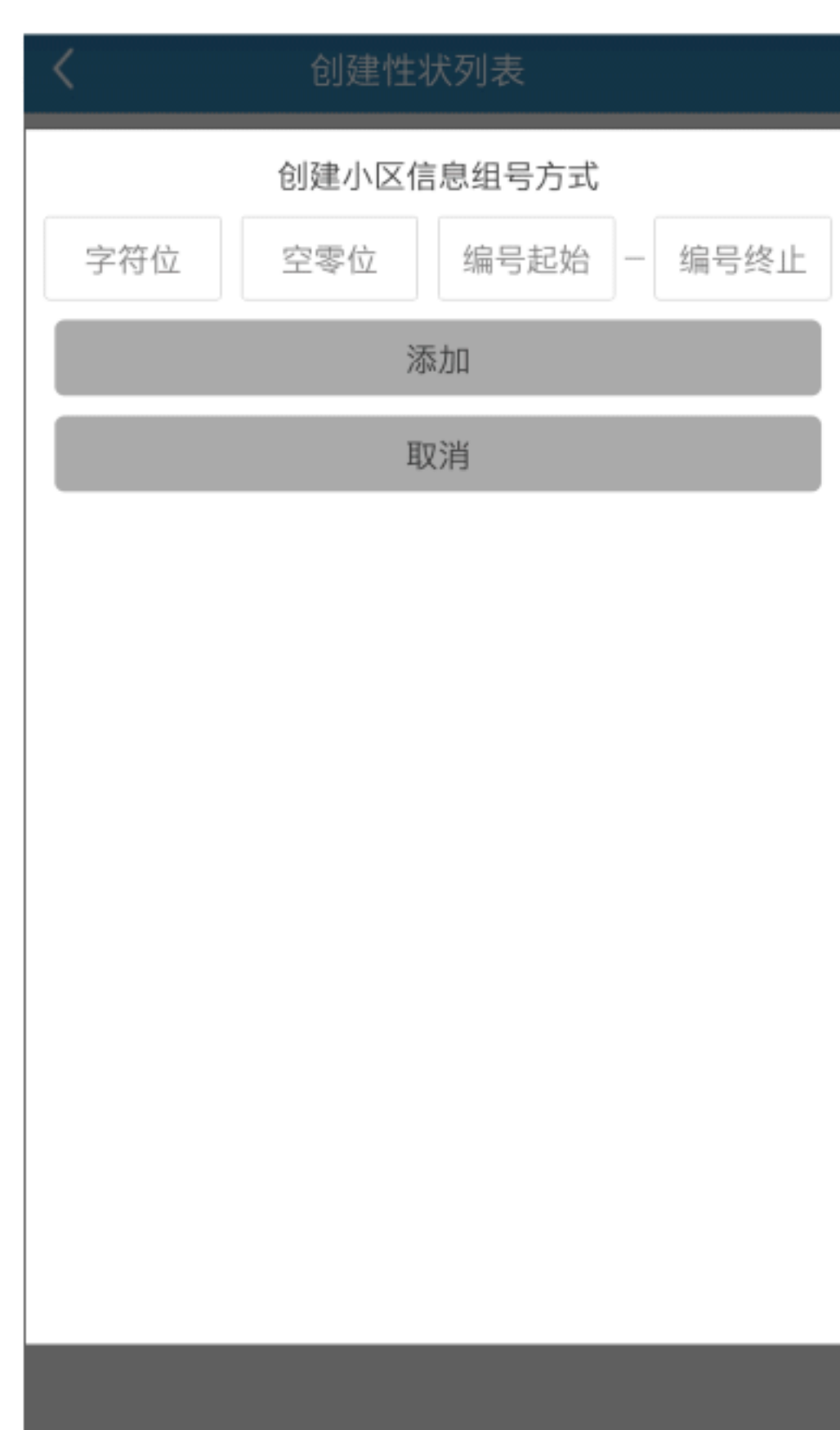


任务创建-性状管理



手动创建性状时，提供五种性状类型。也可导入编辑好的性状模板一键生成所有性状。

任务创建-小区号创建



创建小区三种方式：
方式1-导入模板
方式2-按照小区起始号创建
方式3-根据排区号创

合作伙伴



隆平高科



正大种业



北京屯玉种业有限责任公司



中种国际种子有限公司



科沃斯



中科玉



合肥丰乐种业股份有限公司



九圣禾种业股份有限公司



湖北康农种业股份有限公司



辽宁省农科院高粱所

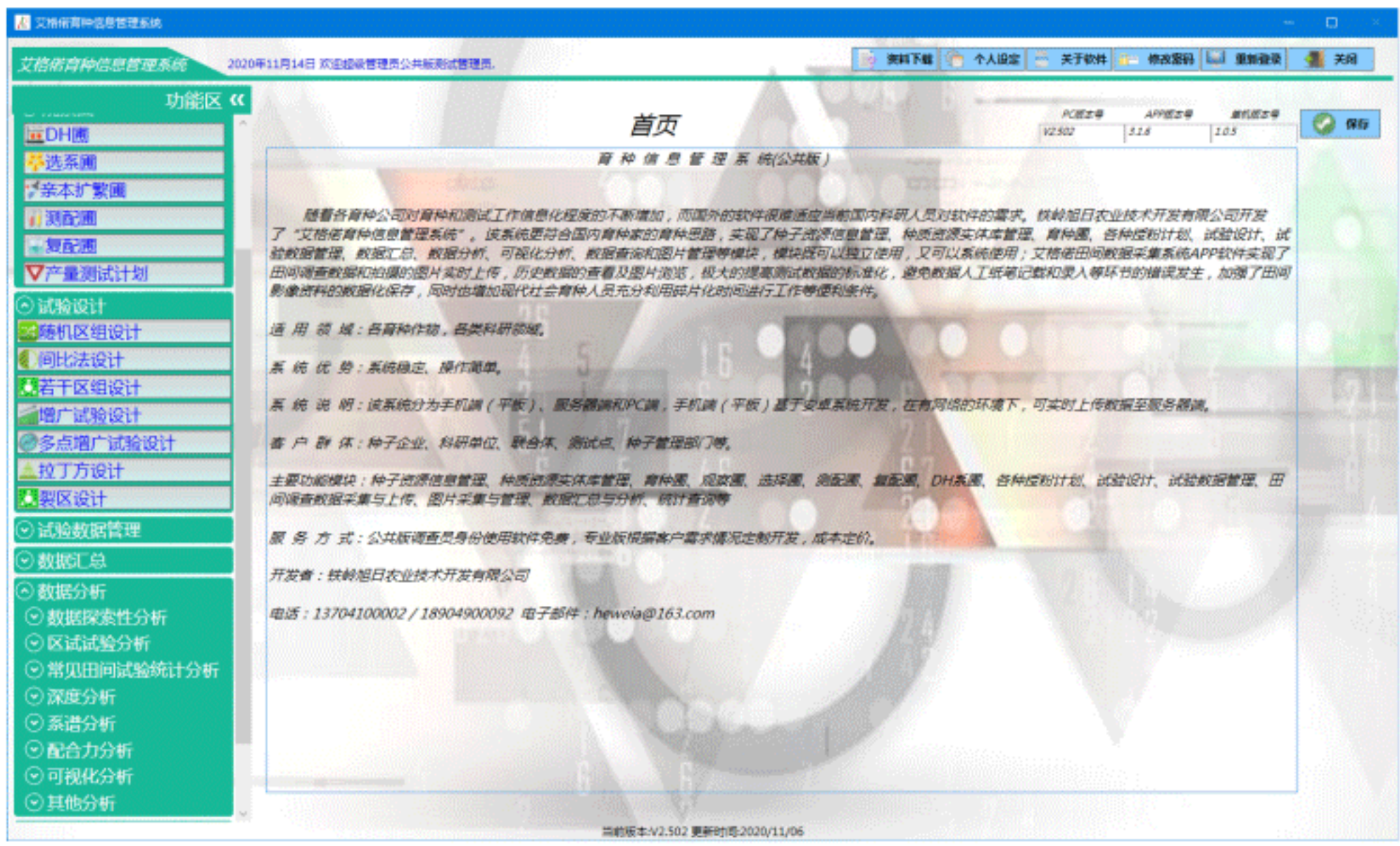


黑龙江省农科院玉米所



河南省种子站

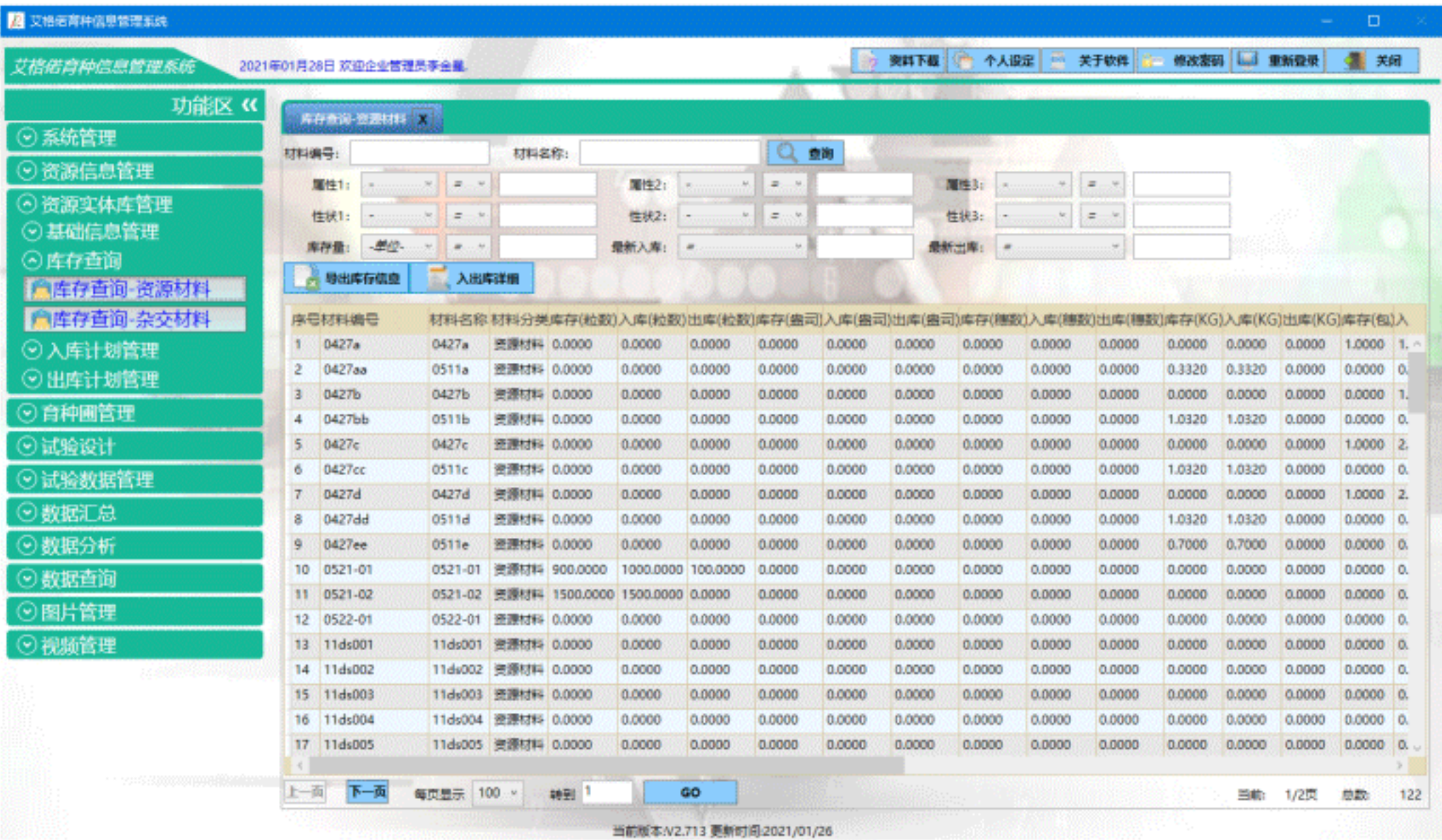
产品列表--育种软件



艾格倬育种信息管理系统



艾格倬田间数据采集系统



艾格倬种质资源管理系统

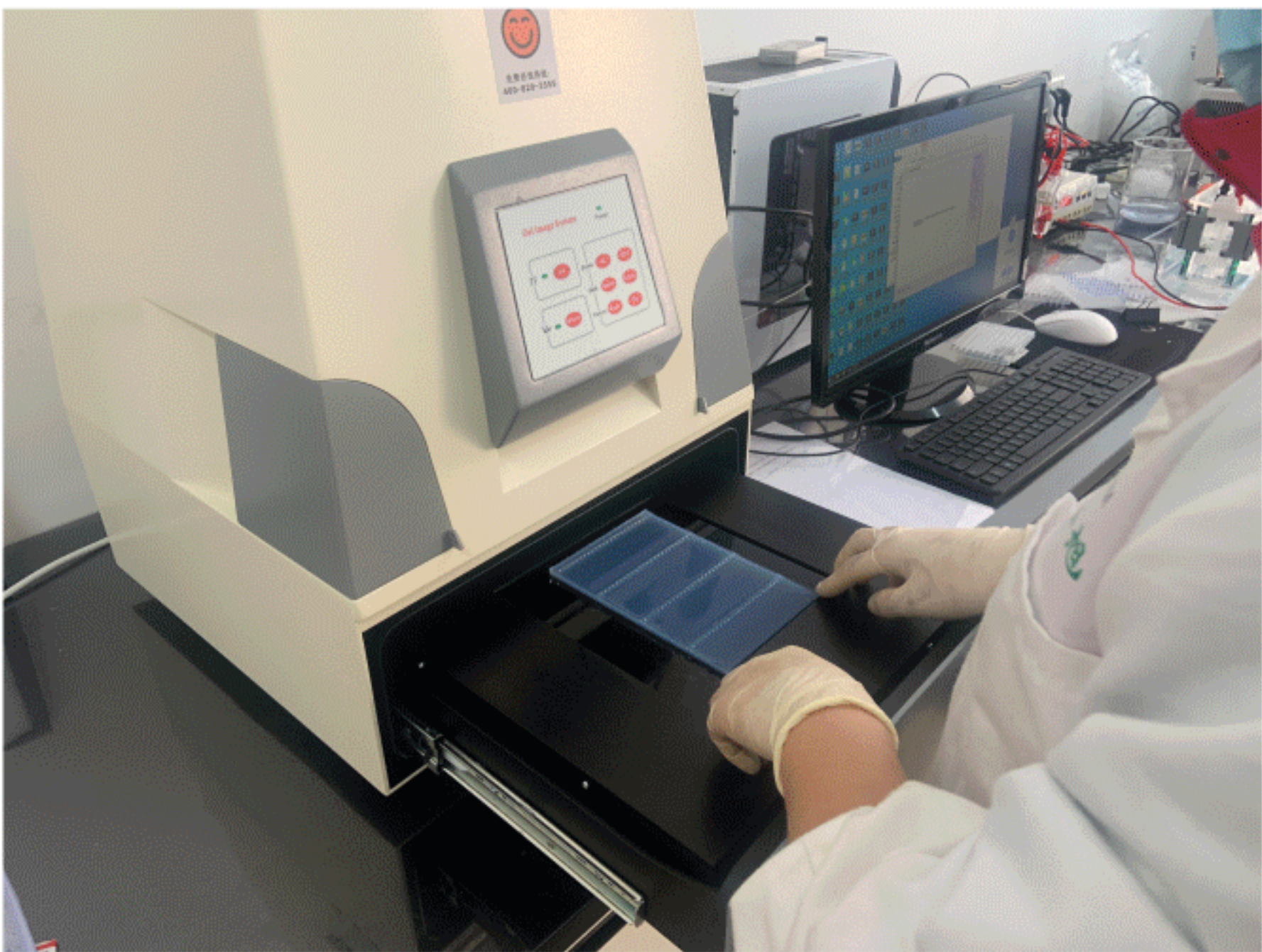


艾格倬田间数据采集系统
(单机版)

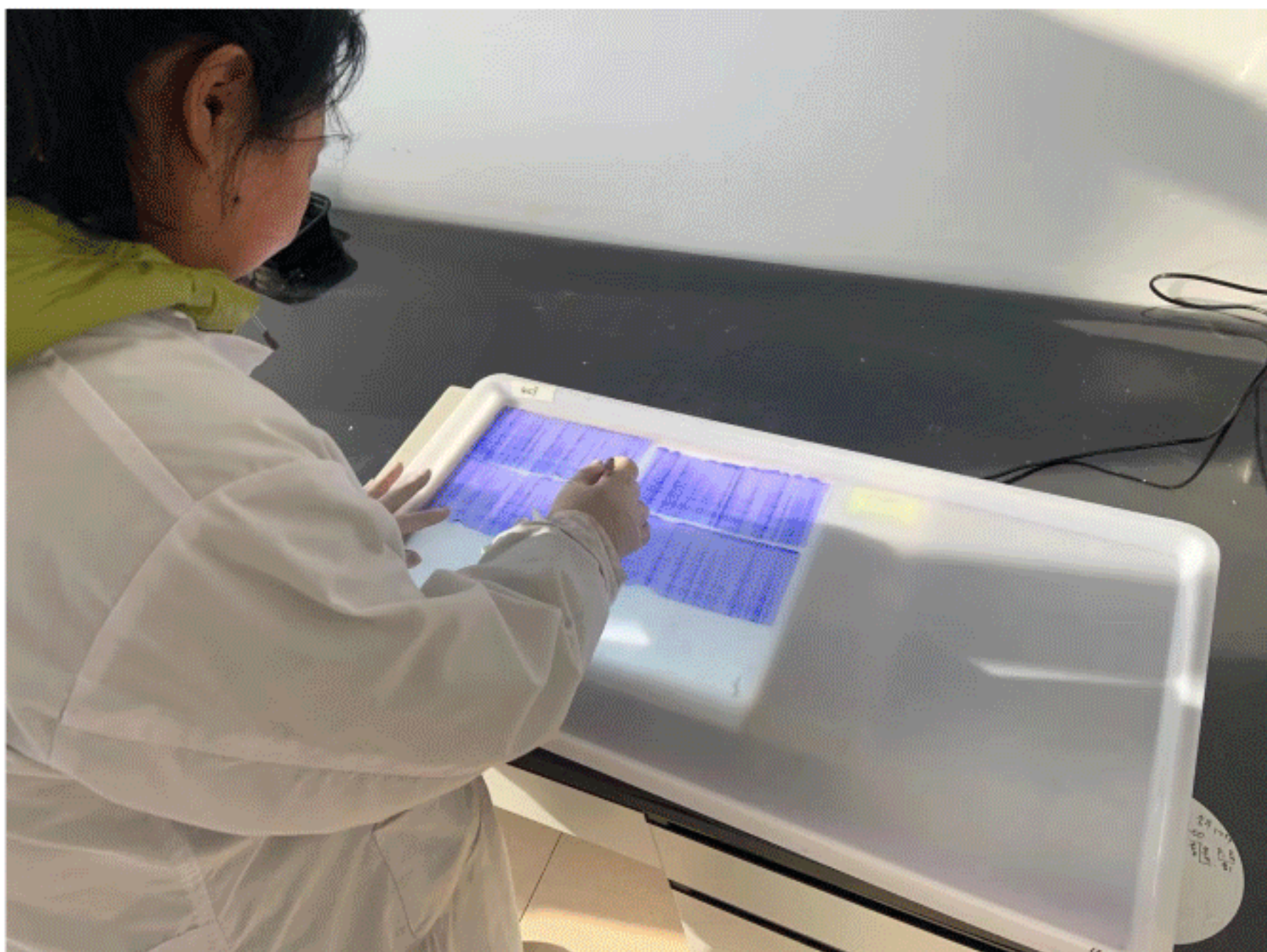
产品列表--分子生物技术服务



单倍体加倍生产服务



分子相关检测服务



种子常规检测服务



土壤农化检测服务

产品列表--育种机械



玉米小区四行精播机
型号: 2BXYQ4



玉米小区四行精播机
型号: 2BXYQ4



玉米小区收获测产机
型号: GY9603



谷物小区测产系统 (正式版)
型号: DSCA



玉米小区脱粒机 (大型)
型号: DSTAC/DSTAD



玉米单穗脱粒机 (标准版)
型号: DSTDA



谷物小区测产系统 (简易版)
型号: DSCB



玉米小区脱粒机 (小型)
型号: DSTAB



玉米单穗脱粒机 (传统版)
型号: DSTDB

联系方式

13704100002/18904900092

